

国際事務局



特許協力条約に基づいて公開された国際出願

(51) 国際特許分類 6		(11)	国際公開番号	WO 95/11255
C07K 7/06, 14/155, A61K 38/08	A1			
		(43)	国際公開日	1995年4月27日 (27.04.95)
(22) 国際出願日 1994年10月19日(P94/0:		忝付公開書類	国際现在報告書
(30) 優先権データ 特顧平5/261302 1993年10月19日(19. 10. 93)	JР	·	
(71) 出題人(米国を除くすべての指定国について) 宗の素株式会社(AJINOMOTO CO., INC.)[JP/JP] 〒104 東京都中央区京橋1丁目15番1号 Tokyo,(JP) (72) 発明者: および (75) 発明者/出題人(米国についてのみ) 滝口雅文(TAKIGUCHI, Masafumi)[JP/JP] 〒108 東京都港区白金台4-6-1 東京大学医科学研究所内 Tokyo,(JP) 三輪市志(MIWA. Kiyoshi)[JP/JP] 〒210 神奈川県川崎市川崎区鈴木町1-1 珠の素株式会社 中央研究所内 Kanagawa,(JP) (74)代理人 弁理士 中村 な、外(NAKAMURA, Minoru et al. 〒100 東京都千代田区丸の内3丁目3番1号 新東京ビル64 Tokyo,(JP) (81) 指定国 AU, CA, CN, JP, KR, US, 欧州特等(AT, BE, ES, FR, GB, GR, IE, IT, LU, MC, NL, P1) 16号 CH, D	E. DK	6.	

- (54) Title: PEPTIDE CAPABLE OF INDUCING IMMUNE RESPONSE AGAINST HIV AND AIDS PREVENTIVE OR REMEDY CONTAINING THE PEPTIDE
- HIVに対する免疫応答を誘導できるペプチド及びペプチドを含む抗AIDS予防・治療剤 (54) 発明の名称
- (57) Abstract

A peptide which is a fragment of the whole protein of HIV, the fragment having a sequence of 8 to 11 consecutive amino acid residues, corresponds to an HLA-binding motif, is in fact bound to HLA, and can induce a killer cell that targets HIV-infected cells. It is efficacious as an AIDS preventive or remedy.

(57) 要約

HIVの全たんぱくの断片であって、該断片が8個~11個のアミノ酸の連続する 配列を含むペプチドであり、HLA結合モチーフに相当し、実際にHLAに結合し、 かつHIV感染細胞を標的とするキラー細胞を誘導しえるペプチドを開示する。こ のペプチドは、抗AIDS予防・治療剤として有効である。

情報としての用途のみ

PCTに基づいて公開される国際出願をパンフレット第一頁にPCT加盟国を同定するために使用されるコード

AM AT AT AN AT AT AN AT AT AUB BEE ススフラボギンシー・ストトラス アップボギンジー・フラボギンジー・カーン アップボギッジア マリラー ステーション ターン アップボーン アッカ 中央ングストルー アップボーン アッカ 中央ングストルー アッカ 大阪 アッカ	LI リンシュ ア	トバゴ
--	-----------	-----

1

明細書

発明の名称

HIVに対する免疫応答を誘導できるペプチド及び該ペプチドを含む抗AIDS予防・治療剤

発明の背景

本発明は、ヒト免疫不全ウイルス(Human Immunodeficiency Virus、以下「HIV」と略称する)タンパクの一部領域のアミノ酸配列をもち、HIVに対する免疫応答を誘導できるペプチド及び該ペプチドを含む抗AIDS予防・治療剤に関する。

後天性免疫不全症候群(Acute Immunodeficiency Disease Syndorome、以下「AIDS」と略称する)は、HIVの感染によって生じる病気であることはよく知られている。この疾患を治療する薬剤の研究開発は活発に行われており、アジドチミジン(以下「AZT」と略称する)、ダイデオキシイノシン(以下「DDI」と略称する)などの薬剤が実用に用いられるようになったが、効果や副作用などの問題点があり、HIVの感染によって生じる病気を完全に治療することができる薬剤は未だに発見されておらず、その見通しも立っていない。一方HIV感染予防とAIDS発症の抑制手段としてHIVに対する免疫抵抗力を増強させるワクチンもこの病気の急速な世界的広がりを抑制できる切り札として期待され広く研究が進められている。現在までに種々のタイプのワクチンが考案され、一部のものは臨床試験に入っているが、未だにヒトに対し実際に感染予防あるいは発症抑制が証明された例はない。

これまでにワクチンの種類としては以下のものが考えられている。

- i) 不活化または弱毒化ウィルス粒子を用いるワクチン: H I Vの病原性に関与する遺伝子を変異欠損させる方法 (Proc. Natl. Acad. Sci. USA, <u>84</u>, 1434, (1987))、H I Vと共通抗原性を持つサルなどの類縁ウイルスを用いるアプローチ (Science, <u>232</u>, 238, (1987))が考えられるが、潜在的危険性から容易には実用化できない。
- ii) ウイルスの一部の抗原タンパクを用いるサブユニットワクチン:ウイルス粒

子のうちの一部抗原性タンパクのみを遺伝子組換え法などで生産し免疫原として用いるというアプローチ(Proc. Natl. Acad. Sci. USA, 84, 6924, (1987)、Ann. Int. Med., 114,119, (1991)、Nature, 355,728, (1992))。最も広く試みられており、臨床試験例も多い。しかしながら中和抗体価が上がらなかったり、抗体価の持続性など克服すべき問題点が多い。またこのアプローチでは抗体産生など体液性免疫の増強には効果があると考えられるが、感染細胞を殺す細胞性免疫の活性化にはつながりにくく、HIVの感染様式から考えてこのアプローチのみの感染予防への効果は必ずしも期待できない。

iii)ワクシニアウィルスやBCG菌などの組換え生ワクチン:ヒトの細胞内で増殖可能なワクシニアウイルス(Nature, 332,728,(1988))やBCG菌(Nature, 351.479,(1991))の遺伝子にHIV由来の一部遺伝子配列を組み込み発現させる方法で、理論的には細胞性免疫増強効果が期待できる。問題点としては免疫力の低下した患者では通常無害なワクシニアウイルスなどでも重篤な感染がおこったりする可能性(Lancet 337,1034,(1991))と、少なくとも今までに作られたワクシニアの組換え生ワクチンでは充分な免疫応答を起こしていない点等がある。iv)抗イディオタイプ抗体:ウイルス抗原のかわりに抗イディオタイプ抗体を免疫原として用いる方法(Proc. Natl. Acad. Sci. USA, 89,2546,(1992))が報告されている。

v)合成ペプチドワクチン:中和抗体の決定領域のペプチド配列を化学合成したものなどが検討されている。特にエンベロープの糖タンパクgp120のV3 領域は主要中和決定領域でありV3 領域合成ペプチドをワクチンとする試みが行われている (Proc. Natl. Acad. Sci. USA, 86,6768,(1989))。

これらのワクチンの研究開発状況については、例えば高橋秀実、実験医学 1 1 巻 6 5 5 - 8 6 6 1 頁 (1993)、奥田研爾・山川正、臨床と微生物 2 0 巻 5 5 - 6 2 頁、A. T. Profy; BIOmedica 8 巻 1 3 3 - 1 3 9 頁に記載される。

上記のような現在までのワクチンの研究開発は中和抗体を誘導する体液性免疫 増強型のものが主であったが、HIVがフリーのウイルス粒子としてよりも感染 細胞と非感染細胞との融合によって伝播しやすいということから、中和抗体によ

る体液性免疫よりも感染細胞を障害する細胞障害性下細胞(cytotoxic T cell、以下「CTL」と略称する)による細胞性免疫が感染防御に重要と考えられる。 実際、HIV感染の機会にさらされながら感染が成立しなかった個体について調べてみると血中抗体は検出されないが高頻度でCTLをもっており、早期のCTL誘導が感染予防に重要であることが報告されている(J. Infec. Dis., 164, 178, (1992))。

そこで本願発明者らは、HIVが感染した細胞を特異的に障害するCTLを誘導できるペプチドを探索し、これを抗AIDS治療あるいは予防に利用することをめざした。

HIV感染細胞に対するCTLを効果的に誘導するにはCTLが認識する抗原エピトープを同定しこれをワクチンに応用することがきわめて重要である。今までははじめにHIVに特異的なCTLクローンを作製し、そのCTLクローンが認識する抗原エピトープを同定するという方法をとっていた(Proc. Natl. Acad. Sci. USA, 85,3105,(1988))。この方法では、数多くのヒト白血球抗原(以下「HLA」と略称する)クラスI抗原によってCTLに提示されるHIV抗原エピトープを同定するのに非常に多数のペプチド合成を要するため多大な時間と費用がかかると考えられ、エピトープの同定も進んでいなかった。

CTLは標的細胞表層に発現される主要組織適合性抗原複合体(以下「MHC」と略称する)クラスI 抗原によって抗原提示されたエピトープペプチドを認識して標的細胞を攻撃するが、最近、特定のMHCクラスI 抗原に結合して抗原提示されるエピトープペプチドは9 鎖長内外のペプチドであってそのアミノ酸配列には一定の法則性(モチーフ)があることが判明してきた(Nature, 351, 290, (1991)、 Eur. J. Immunol., 22, 2453, (1992)、 Nature, 353, 326, (1991)、 Nature, 360, 434, (1992)、 Immunogenetics, 38, 161, (1993))。

発明の開示

本発明は、HIVに対する免疫応答を誘導できるペプチドを提供することを目的とする。

本発明は、又、上記ペプチドをコードするDNAを提供することを目的とする。

本発明は、又、上記ペプチドを含有する抗AIDS予防・治療剤を提供することを目的とする。

本発明は、又、HIVに対する免疫応答を誘導できるペプチドの採取方法を提供することを目的とする。

本発明の上記及び他の目的は、以下の記載から明らかとなるであろう。

本発明は、それぞれのHLAクラスI抗原に結合する自己抗原ペプチドのモチーフから、そのHLAクラスI抗原に結合する可能性のあるHIVペプチドを推定し、推定したHIVペプチドを合成し、ペプチドが結合していないHLAクラスI抗原を多量に発現している形質転換細胞を用いて、形質転換細胞上に多量に発現しているHLAクラスI抗原と実際に結合する合成ペプチドを選択し、次いで選択した合成ペプチドのうち、HLAクラスI抗原に結合した該合成ペプチドが患者の末梢血リンパ球を刺激してCTLを誘導できるものが抗AIDS予防・治療剤として有用であるとの知見に基づいてなされたのである。

すなわち、本発明は、HIVの全たんぱくの断片であって、該断片が8個~ 11個のアミノ酸の連続する配列を含むペプチドであり、HLA結合モチーフに 相当し、実際にHLAに結合し、かつHIV感染細胞を標的とするキラー細胞を 誘導しえるペプチドを提供する。

本発明は、又、上記ペプチドをコードするDNAを提供する。

本発明は、又、上記ペプチド及び医薬的に許容される担体及び/又は希釈剤を含む抗AID予防・治療剤を提供する。

本発明は、又、HIVの全たんぱくの断片であって、8個~11個のアミノ酸の連続する配列を含み、HLA結合モチーフに相当するペプチドを合成し、合成ペプチドのうち実際にHLAに結合するものを選択し、次いで選択した合成ペプチドのうちHLAクラスI抗原に結合してHIV疾患患者の末梢リンパ球を刺激してキラー細胞を誘導するものを採取することを特徴とするHIV感染細胞を標的とするキラー細胞を誘導しえるペプチドを採取する方法を提供する。

図面の簡単な説明

図1は、RMA-S-B*3501細胞上におけるHLA-B*3501抗原の発現レ

ベルの変化を示す。図中、△はHLA-B*3501抗原結合性のある自己抗原ペプチド28H(LPGPKFLQY)、○は37F(LPFDFTPGY)、□は結合性のないペプーチドMP-1(KGILGKVFTLTV)の添加によるHLA-B*3501発現レベルの変化を示す。

図 2 は、ペプチドとしてHIV(B35)-16を用いたときの特異的細胞傷害活性を示す。図中、 \blacksquare は標識標的細胞が \mathbf{T} 2 \mathbf{E} \mathbf{E}

図 3 は、ペプチドとしてHIV(B35)-18 を用いたときの特異的細胞傷害活性を示す。 ●は標識標的細胞が $T 2 - B^*$ 3501細胞の場合、 \bigcirc は標識標的細胞がT 2 細胞の場合でありコントロールである。ペプチドで刺激して培養した患者末梢リンパ球は、 1×10^5 、 2.5×10^4 あるいは 6.25×10^5 個の 3 段階の細胞数を用いたが、図に示される特異的細胞傷害活性の値は 1×10^5 個の細胞を用いたときのものである。

図 4 は、ペプチドとしてHIV(B35)POL-20を用いたときの特異的細胞傷害活性を示す。 \blacksquare は標識標的細胞がT $2 - B^*$ 3501細胞の場合、 \bigcirc は標識標的細胞がT 2 細胞の場合でありコントロールである。ペプチドで刺激して培養した患者末梢リンパ球は、 1×10^5 、 2.5×10^4 あるいは 6.25×10^3 個の 3 段階の細胞数を用いたが、図に示される特異的細胞傷害活性の値は 1×10^5 個の細胞を用いたときのものである。

発明を実施するための最良の形態

H I Vの全たんぱくは、例えば、Nature Vol. 313, p277-283(1985) やProc. Natl., Acad. Sci. USA Vol. 83, p2209-2213(1986) などに記載されている。本発明のペプチドは、上記H I Vの全たんぱくの断片であって、該断片が8個~11個、好ましくは9個~11個のアミノ酸の連続する配列を含むペプチドである。本発明のペプチドは、さらに、H L A 結合モチーフに相当し、実際にH L A

に結合することが必要である。ここで、HLA結合モチーフとしては、8個~11個のアミノ酸配列であって、2番目がPro、C末端がTyr、Leu、Ile、Met、Phe及びAlaからなる群から選ばれるアミノ酸であるもの、2番目がPro、Ala及びGlyからなる群から選ばれるアミノ酸であり、C末端がIle、Leu、Val、Phe及びMetからなる群から選ばれるアミノ酸であるもの、2番目がLeu、Val、Tyr及びPheからなる群から選ばれるアミノ酸であるもの、2番目がLeu、Val、Tyr及びPheからなる群から選ばれるアミノ酸であるもの、2番目がLeu、Val、Tyr及びPheからなる群から選ばれるアミノ酸であり、C末端がArgであるものがあげられる。本発明においては、HLA結合モチーフに相当ペプチドが実際にHLAに結合するか否かは、HLAクラスI抗原をもつ細胞をもちいて確認することができる。このような細胞としては、RMA-S-B*3501細胞、RMA-S-B*5101細胞及びRMA-S-A*3101細胞などがあげられ、これらは、HLA-B*3501遺伝子、HLA-B*5101遺伝子やHLA-A*3101遺伝子を、RMA-S細胞に導入することにより容易に得ることができる。尚、RMA-S細胞は、Ljunggren etal., J. Immu-nol., 142,2911,(1989)に記載されている。

本発明では、さらに、HLAクラスI抗原に結合した合成HIVペプチドが実際に患者の末梢血リンパ球を刺激しCTLを誘導できること、つまりHIV感染細胞を標的とするキラー細胞を誘導しえることが必要である。

このようなペプチドとしては、配列番号 1 から 6 3 のペプチドを例示することができる。

配列番号 1 から 2 4 のうちいずれかのアミノ酸配列を有するペプチドは、HLA-B3501抗原に結合するペプチドであって、RMA-S-B*3501細胞を利用して得られたものである。配列番号 2 5 から 4 6 のうちいずれかのアミノ酸配列を有するペプチドは、HLA-B51抗原に結合するペプチドであって、RMA-S-B*5101細胞を利用して得られたものである。又、配列番号 4 7 から 6 3 のうちいずれかのアミノ酸配列を有するペプチドは、HLA-A3101抗原に結合するペプチドであって、RMA-S-A*3101細胞を利用して得られたものである。本発明のペプチドを得る手段は、後述の実施例で詳しく述べる。

配列番号1から63のうちいずれかのアミノ酸配列を有するペプチドは、当業者間で周知の方法により合成又は製造できる。近年はペプチドシンセサイザーが

発達したため、数十の残基よりなるペプチドも容易に製造できる。あるいは、配列番号1から63のうちいずれかのアミノ酸配列を有するペプチドをコードする DNAを適当な発現ベクターに接続し、これによって形質転換されたエシェリヒア属細菌等の細胞を培養することによっても製造できる。このような、遺伝子組換え技術をもちいたタンパク質やペプチドの製造法は当業者間でよく知られている。

配列番号1から63のうちいずれかのアミノ酸配列を有するペプチドをコードするDNAは、配列番号1から63のうちいずれかのアミノ酸配列より演繹できる。各アミノ酸残基に対応するコドンは当業者において周知である。該DNAを細胞に導入して発現させる場合には、各細胞において好まれるコドンが異なる場合があるのでこれを参考にする。たとえばエシェリヒア属細菌細胞内で好まれるコドンを用いる場合には、配列番号3のアミノ酸配列を有するペプチドをコードするDNAの例としては、配列番号64の塩基配列を有するDNAがある。配列番号4のアミノ酸配列を有するペプチドをコードするDNAの例としては、配列番号65の塩基配列を有するペプチドをコードするDNAの例としては、配列番号65の塩基配列を有するペプチドをコードするDNAの例としては、配列番号66の塩基配列を有するペプチドをコードするDNAの例としては、配列番号66の塩基配列を有するDNAがある。

配列番号1から63のうちいずれかのアミノ酸配列を有するペプチドは、T細胞エピトープとしてHIV特異的CTLを誘導することができるのでワクチンとして非常に有用である。実際のワクチンとしての使用はペプチド溶液をそのまま、または適当な補助剤とともに注射器で投与することもできるし、噴霧などの方法で粘膜からの経皮吸収などで投与してもよい結果が得られる。投与量は1回0.1から100mgで単回または繰り返し投与する。また上記に方法で選択した複数のエピトープペプチドを同時に用いるとさらに効果的である場合が多い。製剤としては凍結乾燥、糖などの賦形剤を加えて顆粒にするなどでよく、別段に特別のものを要さない。注射投与する際に注射用蒸留水で溶解して用いる。本剤はペプチド化合物であり上記投与方法で問題となる重篤な急性毒性はない。

ワクチンに添加して免疫原性を高める補助剤としてはBCG菌などの菌体成分、 Moreinらにより開発されたQuillAという樹皮から抽出したISCOM

(Immunostimulating complex) (Nature. 308.457、(1984)、Nature. 344.873、(1990))、サポニン系のQS-21 (J. Immunol., 148.1438、(1992))、リポソーム (J. Immunol., 148.1585、(1992))、水酸化アルミニウム (アラム)、KLH (Keyhole Lympet Hemocyanin) (J. Virol., 65, 489、(1991))などが利用できる。このような方法で生体内にCTLなどの免疫応答を誘導できることは上記記載のそれぞれの先行文献や Science、255、333、(1992)などにも述べられている。

患者から採取した細胞または同ハプロタイプのHLAクラスI抗原をもつ細胞 に試験管内で当該エピトープペプチドを与えて抗原提示させたのち患者血管中に 投与し、患者体内で効果的にCTLを誘導させる方法、患者末梢血リンパ球に同 ペプチドを加えて試験管内で培養、試験管内でCTLを誘導増殖させたのち患者 にもどす方法も本発明で明らかにされたエピトープペプチドを使うことにより有 効に適用することができる。従って、HLA-B*3501抗原を有する末梢血リン パ球を、配列番号1から24のうちいずれかのアミノ酸配列を有するペプチド存 在下で培養して得られる細胞障害性T細胞を抗AIDSワクチンとして用いるこ ともできる。実際には患者末梢血リンパ球10~から10~個に当該ペプチド 0.01からlmg を加えて数時間から1日培養した後患者静脈中に投与するか、ある いはさらに組換えインターロイキン2 (recombinant IL-2)を50U/mlと当該 ペプチド1 μg/mlを加えた培養液で数週間培地交換しながら培養を継続して試験 管内でCTLを誘導してから患者静脈より注入する。培養の方法は当業者間でよ く知られている通常の方法でよく、培養後は遠心分離等で培地成分を洗浄後生理 食塩水等に懸濁して投与する。このような細胞注入による治療はすでに癌治療法 として実施されており、当業者間ではよく知られている方法である (New Eng. J. Med., 313, 4185, (1985), Science, 233, 1318, (1986))

また本発明で明らかにされたCTLエピトープはワクシニアウイルスやBCG 菌組換え生ワクチンなどでも有効に活用できる。すなわちこれらの組換え生ワク チンにおいて発現させる組換え抗原タンパク遺伝子中に配列番号1から63のう ちいずれかのアミノ酸配列を有するペプチドをコードするDNAを組み込んでお けば、該ペプチド配列が抗原タンパクの一部として発現したのち細胞内でプロセ スされてHLAクラスI抗原により提示され、これを認識するCTLを誘導する

ことができる。BCG菌における外来遺伝子の発現方法は国際特許公開WO 8 8 ~ 0 6 6 2 6 に詳しい。BCG菌組換え生ワクチンについては J. Exp. Med., 178, 197, (1993)に詳しい。投与量、投与方法は通常の種痘やBCGワクチンに準じて行うことができる。急性毒性等も通常の種痘やBCGワクチンと変わるところはない。ただしワクシニアウイルスの場合AIDSが発症し、免疫能が低下している患者には重篤感染の危険性があり、治療用ワクチンとしては慎重に行う必要がある。BCGワクチンについてはこのような事例はまだない。このような方法で生体にCTLなどの免疫応答を誘導できることは Nature, 332, 728, (1988) や Nature, 351, 479, (1991) などに示されている。

HIVワクチンの大きな問題点はHIVが容易に変異を起こして宿主免疫を逃れる点にある。したがって免疫原として一つのエピトープのみを担ったワクチンはやがて効力失う可能性が大である。その点、本発明により明らかになった多数のエピトープを免疫原とするワクチンの有用性はきわめて高い。

次に実施例により本発明を説明する。

実施例1

(1) HLA-B*3501結合自己抗原ペプチドのモチーフよりHLA-B*3501結合のHIVペプチドの推定

HLA-B* 3501結合自己抗原ペプチドのモチーフは以前に明らかにされており(Nature, 360, 434, (1992)、Immunogenetics, 38, 161(1993))、その結果よりHIVタンパク由来ペプチドのうち自己抗原ペプチドと同様に8から12個のアミノ酸からなるペプチドであって、2番目がPro、C末端がTyr、Leu、Ile、Met、Pheのうちの一つをもったものがHLA-B* 3501に結合しやすいと推定された。HIVを構成する全タンパク質のアミノ酸配列はすでに報告がされているので、この配列の中からHLA-B* 3501結合自己抗原ペプチドのモチーフと合致するものを選び出した。ARV-2株HIVのタンパク配列のうちこれに合致するペプチドは表1に示した58種類のものである。これらのペプチドを島津製作所製のペプチドシンセサイザーで合成し、HLA-B* 3501抗原への結合測定実験に供した。

表 1

HIV(B35)-1	RPGGKKKY	HIV(B35)-11	PPFLWMGY
HIV(B35)-2	VPLRPMTY	HIV(B35)-13	PPLVKLWY
HIV(B35)-3	TPGPGIRY	HIV(B35)-14	NPDIVIYQY
HIV(B35)-4	PPIPVGEIY	HIV(B35)-15	EPPFLWMGY
HIV(B35)-5	GPKEPFRDY	HIV(B35)-16	TPPLVKLWY
HIV(B35)-6	QPKTACTTCY	HIV(B35)-18	EPIVGAETFY
HIV(B35)-7	NPPIPVGEIY	HIV(B35)-19	EPFKNLKTGKY
HIV(B35)-8	EPFRDYVDRFY	HIV(B35)-20	IPAETGQETAY
HIV(B35)-10	TPGIRYQY		
HIV(B35)GAG-8	TPQDLNTML	HIV(B35)GAG-21	GPGHKARVL
HIV(B35)GAG-13	NPPIPVGEI	HIV(B35)GAG-26	APPEESFRF
HIV(B35)GAG-20	GPAATLEEM		
•			•
HIV(B35)POL-1	LPGRWKPKM	HIV(B35)POL-20	SPAIFQSSM
HIV(B35)POL-7	VPVKLKPGM	HIV(B35)POL-27	YPGIKVRQL
HIV(B35)POL-9	GPKVKQWPL	•	
HIV(B35)ARV2-1	EPIDKELY	HIV(B35)ARV2-25	EPIVGAETF
HIV(B35)ARV2-2	EPVHEVYY	HIV(B35)ARV2-26	QPDKSESEL
HIV(B35)ARV2-3	QPRTACNNCY	HIV(B35)ARV2-27	LPPVVAKE I
HIV(B35)ARV2-4	VPLDKDFRKY	HIV(B35)ARV2-28	VPRRKAKI I
HIV(B35)ARV2-5	RPWLHSLGQY	HIV(B35)ARV2-29	DPGLADQL I
HIV(B35)ARV2-6	RPQVPLRPMTY	HIV(B35)ARV2-30	TPKKTKPPL
HIV(B35)ARV2-7	RPNNNTRKS I Y	HIV(B35)ARV2-31	PPLPSVKKL
HIV(B35)ARV2-8	FPVRPQVPL	HIV(B35)ARV2-32	FPRPWLHSL
HIV(B35)ARV2-9	RPQVPLRPM	HIV(B35)ARV2-33	DPNPQEVVL

HIV(B35)ARV2-10	RRPMTYKAAL	HIV(B35)ARV2-34	KPCVKLTPL
HIV(B35)ARV2-11	YPLTFGWCF	HIV(B35)ARV2-35	CPKVSFEPI
HIV(B35)ARV2-12	LPPLERLTL	HIV(B35)ARV2-36	RPIVSTQLL
HIV(B35)ARV2-18	TPSQKQEPI	HIV(B35)ARV2-37	DPEIVMHSF
HIV(B35)ARV2-19	YPLTSLRSL	HIV(B35)ARV2-38	LPCRIKQII
HIV(B35)ARV2-20	LPGKWKPKM	HIV(B35)ARV2-39	SPLSFQTRL
HIV(B35)ARV2-24	IPLTEEAEL		

(2) HLA-B* 3501抗原との合成HIVペプチドの結合測定

合成したHIVペプチドが結合するかを、HLA-B*3501を発現しているマウス細胞株RMA-S株を用いて測定した。

2-1. RMA-S-B* 3501細胞の作製

HLA-B* 3501遺伝子はこの抗原をもっているヒトの末梢血リンパ球の染色体DNAから以前に報告されている方法(Ooba et al., Immunogenetics. 30,76, (1989))によりクローニングすることができる。すなわちHLA-B* 3501抗原をもつヒトの末梢血リンパ球より常法により染色体DNAを調製、制限酵素EcoRIで消化後ショ糖密度勾配遠心により6.0-8.5kbの断片を得た。このDNA断片をファージベクタールZAP(東洋紡社より購入)に挿入しゲノムライブラリーを作成した。このライブラリーをHLA-B7cDNA(Coppin et al., Proc. Natl. Acad. Sci. USA, 82,8614,(1985))をプローブとしてスクリーニングしHLA-B* 3501遺伝子をもつクローンを得た。得られた遺伝子をRMA-S細胞(Ljunggren et al., J. Immunol., 142,2911,(1989))にelectroporation法により遺伝子移入し、発現細胞を抗HLA-Bw6単クローン抗体、SFR8・B6 (ATCC HB152)を用いてflowcytometryによって選択した。RMA-S-B*3501細胞は通産省工業技術院生命工学工業技術研究所に寄託されており、受託番号FERM BP-4727が付与されている。

2-2. RMA-S-B* 3501細胞を用いたHIV合成ペプチドのHLA-B* 35 01抗原への結合測定

RMA-S細胞はTAP(Transporter Associated Protein)抗原が欠損した

マウスの細胞株である。このため、細胞表面上にMHCクラス I 抗原が 3.7 \mathbb{C} で 培養した時には低レベルでしか細胞表面上には発現しない。しかし低温 (2.6) で培養するとペプチドをとりこんでいないクラス I 抗原が高レベルで細胞表面上 に発現することが知られている(Ljunggren et al., Nature, 346,476,(1990))。

RMA-S-B* 3501細胞でも同様にHLA-B* 3501抗原は26℃で培養し た時には高レベルで細胞表面上に発現するが、37℃で培養するとその発現は低 下する。また26℃で培養しておいたRMA-S-В*3501細胞上のHLA-B* 3501抗原の発現は37℃に3時間おくことにより、37℃で培養した場合と 同じに発現量は低くなる。しかしながらペプチドが結合していないHLA-B* 3501抗原に外から加えたペプチドが結合すると、ペプチドの結合したHLA - B* 3501抗原は37℃に置いても消失せず高発現量が保たれる。図1はHLA - B* 3501抗原結合性のある自己抗原ペプチド2 8 H (LPGPKFLQY : グラフ中△ で表現される)、37F(LPFDFTPGY : グラフ中○で表現される)と、結合性の ないペプチドMP-1(KGILGKVFTLTV:グラフ中□で表現される)の添加による HLA-B*3501発現レベルの変化について調べたもので、HLA-B*3501抗 原の発現量が結合活性のあるペプチドの添加量に依存しているという結果が得ら れた。HLA-B* 3501抗原結合性のある自己抗原ペプチド28H、37Fと、 結合性のないペプチドMP-1については Nature, 360, 434, (1992)、1mmunogene tics, 38,161(1993)に記載されている。従ってこの実験系を用いることによりは じめて、外から加えたペプチドのHLA-B* 3501への結合活性をHLA-B*3501抗原の細胞表層発現量を指標として容易に評価することができるように なった。実際の被検ペプチドの結合測定操作は26℃で培養したRMA-S-B* 3501細胞に該ペプチドを加えて26℃で1時間、その後37℃に3時間置い た後に抗HLA-Bw6単クローン抗体、SFR8・B6とflow cytometryを用 いてHLA-B* 3501抗原の発現レベルを測定することにより行った。なお、▲ はペプチド非添加のコントロール、●はペプチド非添加でありかつ26℃でのみ 培養を行ったコントロール、■はペプチド非添加でありかつ37℃でのみ培養を 行ったコントロールである。

5 8 種類のHIVペプチドのHLA-B* 3501抗原に対する結合を測定したと

ころ、表2に示すように26種類のペプチドが結合した。

表 2

HIV(B35)-14 NPDIVIYQY pol 330-33i HIV(B35)ARV2-8 FPVRPQVPL nef 72-80 中親和性 HIV(B35)-16 TPPLVKLWY pol 574-58; HIV(B35)-18 EPIVGAETFY pol 587-59i HIV(B35)-20 IPAETGQETAY pol 804-814 HIV(B35)POL-20 SPAIFQSSM pol 311-319 HIV(B35)ARV2-11 YPLTFGWCF nef 139-14* HIV(B35)ARV2-19 YPLTSLRSL gag 486-494 HIV(B35)ARV2-25 EPIVGAETF pol 587-59i HIV(B35)-8 EPFRDYVDRFY gag 255-264 HIV(B35)-15 EPPFLWMGY pol 379-38* HIV(B35)-19 EPFKNLKTGKY pol 587-59i HIV(B35)GAG-20 GPAATLEEM gag 340-34i HIV(B35)ARV2-1 EPIDKELY gag 479-48i HIV(B35)ARV2-1 EPIDKELY gag 479-48i HIV(B35)ARV2-2 EPVHEVYY pol 467-474 HIV(B35)ARV2-2 EPVHEVYY pol 273-28* HIV(B35)ARV2-4 VPLDKDFRKY pol 273-28* HIV(B35)ARV2-6 RPQVPLRPMTY nef 75-83 HIV(B35)ARV2-1 LPPLERLTL rev 75-83 HIV(B35)ARV2-12 LPPLERLTL rev 75-83 HIV(B35)ARV2-24 IPLTEEAEL pol 448-456 HIV(B35)ARV2-33 DPNPQEVVL env 77-85	結合の親和性	ペプチド	配列	位置
HIV(B35)ARV2-8 FPVRPQVPL nef 72-80 中規和性 HIV(B35)-16 TPPLVKLWY pol 574-583 HIV(B35)-18 EPIVGAETFY pol 587-596 HIV(B35)-20 IPAETGQETAY pol 804-814 HIV(B35)POL-20 SPAIFQSSM pol 311-316 HIV(B35)ARV2-11 YPLTFGWCF nef 139-147 HIV(B35)ARV2-19 YPLTSLRSL gag 486-494 HIV(B35)ARV2-25 EPIVGAETF pol 587-596 HIV(B35)-7 NPPIPVGEIY gag 255-266 HIV(B35)-8 EPFRDYVDRFY gag 293-303 HIV(B35)-15 EPPFLWMGY pol 379-387 HIV(B35)-19 EPFKNLKTGKY pol 587-596 HIV(B35)GAG-20 GPAATLEEM gag 340-346 HIV(B35)GAG-26 APPEESFRF gag 459-467 HIV(B35)ARV2-1 EPIDKELY gag 479-486 HIV(B35)ARV2-2 EPVHEVYY pol 467-474 HIV(B35)ARV2-4 VPLDKDFRKY pol 273-285 HIV(B35)ARV2-6 RPQVPLRPMTY nef 75-83 HIV(B35)ARV2-9 RPQVPLRPM nef 75-83 HIV(B35)ARV2-12 LPPLERLTL rev 75-83 HIV(B35)ARV2-24 IPLTEEAEL pol 448-456 HIV(B35)ARV2-33 DPNPQEVVL env 77-85	高親和性	HIV(B35)-3	TPGPGIRY	nef 133-139
中親和性 HIV(B35)-16 TPPLVKLWY pol 574-583 HIV(B35)-18 EPIVGAETFY pol 587-599 HIV(B35)-20 IPAETGQETAY pol 804-814 HIV(B35)POL-20 SPAIFQSSM pol 311-319 HIV(B35)ARV2-11 YPLTFGWCF nef 139-144 HIV(B35)ARV2-19 YPLTSLRSL gag 486-494 HIV(B35)ARV2-25 EPIVGAETF pol 587-599 HIV(B35)-7 NPPIPVGEIY gag 255-264 HIV(B35)-8 EPFRDYVDRFY gag 293-303 HIV(B35)-15 EPPFLWMGY pol 379-387 HIV(B35)-19 EPFKNLKTGKY pol 587-599 HIV(B35)GAG-20 GPAATLEEM gag 340-349 HIV(B35)GAG-26 APPEESFRF gag 459-467 HIV(B35)ARV2-1 EPIDKELY gag 479-486 HIV(B35)ARV2-2 EPVHEVYY pol 467-474 HIV(B35)ARV2-4 VPLDKDFRKY pol 273-283 HIV(B35)ARV2-6 RPQVPLRPMTY nef 75-85 HIV(B35)ARV2-9 RPQVPLRPMTY nef 75-83 HIV(B35)ARV2-12 LPPLERLTL rev 75-83 HIV(B35)ARV2-12 LPPLERLTL rev 75-83 HIV(B35)ARV2-24 IPLTEEAEL pol 448-456 HIV(B35)ARV2-33 DPNPQEVVL env 77-85		HIV(B35)-14	NPDIVIYQY	pol 330-338
HIV(B35)-18		HIV(B35)ARV2-8	FPVRPQVPL	nef 72-80
HIV(B35)-20 IPAETGQETAY pol 804-814 HIV(B35)POL-20 SPAIFQSSM pol 311-319 HIV(B35)ARV2-11 YPLTFGWCF nef 139-14* HIV(B35)ARV2-19 YPLTSLRSL gag 486-494 HIV(B35)ARV2-25 EPIVGAETF pol 587-599 HIV(B35)-7 NPPIPVGEIY gag 255-264 HIV(B35)-8 EPFRDYVDRFY gag 293-303 HIV(B35)-15 EPPFLWMGY pol 379-387 HIV(B35)-19 EPFKNLKTGKY pol 587-599 HIV(B35)GAG-20 GPAATLEEM gag 340-349 HIV(B35)GAG-26 APPEESFRF gag 459-467 HIV(B35)ARV2-1 EPIDKELY gag 479-486 HIV(B35)ARV2-2 EPVHEVYY pol 467-474 HIV(B35)ARV2-4 VPLDKDFRKY pol 273-283 HIV(B35)ARV2-6 RPQVPLRPMTY nef 75-85 HIV(B35)ARV2-9 RPQVPLRPM nef 75-83 HIV(B35)ARV2-12 LPPLERLTL rev 75-83 HIV(B35)ARV2-24 IPLTEEAEL pol 448-456 HIV(B35)ARV2-33 DPNPQEVVL env 77-85	中親和性	HIV(B35)-16	TPPLVKLWY	pol 574-582
HIV(B35)POL-20 SPAIFQSSM pol 311-319 HIV(B35)ARV2-11 YPLTFGWCF nef 139-14' HIV(B35)ARV2-19 YPLTSLRSL gag 486-494 HIV(B35)ARV2-25 EPIVGAETF pol 587-599 ### HIV(B35)-7 NPPIPVGEIY gag 255-264 HIV(B35)-8 EPFRDYVDRFY gag 293-303 HIV(B35)-15 EPPFLWMGY pol 379-383' HIV(B35)-19 EPFKNLKTGKY pol 587-599 HIV(B35)GAG-20 GPAATLEEM gag 340-349 HIV(B35)GAG-26 APPEESFRF gag 459-465' HIV(B35)ARV2-1 EPIDKELY gag 479-486' HIV(B35)ARV2-2 EPVHEVYY pol 467-474' HIV(B35)ARV2-4 VPLDKDFRKY pol 273-282' HIV(B35)ARV2-6 RPQVPLRPMTY nef 75-85 HIV(B35)ARV2-9 RPQVPLRPM nef 75-83 HIV(B35)ARV2-12 LPPLERLTL rev 75-83 HIV(B35)ARV2-12 LPPLERLTL rev 75-83 HIV(B35)ARV2-24 IPLTEEAEL pol 448-456' HIV(B35)ARV2-33 DPNPQEVVL env 77-85		HIV(B35)-18	EPIVGAETFY	pol 587-596
HIV(B35)ARV2-11 YPLTFGWCF nef 139-147 HIV(B35)ARV2-19 YPLTSLRSL gag 486-494 HIV(B35)ARV2-25 EPIVGAETF pol 587-598 ### HIV(B35)-7 NPPIPVGEIY gag 255-264 HIV(B35)-8 EPFRDYVDRFY gag 293-303 HIV(B35)-15 EPPFLWMGY pol 379-387 HIV(B35)-19 EPFKNLKTGKY pol 587-598 HIV(B35)GAG-20 GPAATLEEM gag 340-348 HIV(B35)GAG-26 APPEESFRF gag 459-467 HIV(B35)ARV2-1 EPIDKELY gag 479-488 HIV(B35)ARV2-2 EPVHEVYY pol 467-474 HIV(B35)ARV2-4 VPLDKDFRKY pol 273-283 HIV(B35)ARV2-6 RPQVPLRPMTY nef 75-85 HIV(B35)ARV2-9 RPQVPLRPM nef 75-83 HIV(B35)ARV2-12 LPPLERLTL rev 75-83 HIV(B35)ARV2-24 IPLTEEAEL pol 448-458 HIV(B35)ARV2-33 DPNPQEVVL env 77-85		HIV(B35)-20	IPAETGQETAY	pol 804-814
HIV(B35)ARV2-19 YPLTSLRSL gag 486-494 HIV(B35)ARV2-25 EPIVGAETF pol 587-599 其親和性 HIV(B35)-7 NPPIPVGEIY gag 255-264 HIV(B35)-8 EPFRDYVDRFY gag 293-303 HIV(B35)-15 EPPFLWMGY pol 379-387 HIV(B35)-19 EPFKNLKTGKY pol 587-599 HIV(B35)GAG-20 GPAATLEEM gag 340-3467 HIV(B35)GAG-26 APPEESFRF gag 459-467 HIV(B35)ARV2-1 EPIDKELY gag 479-4867 HIV(B35)ARV2-2 EPVHEVYY pol 467-474 HIV(B35)ARV2-4 VPLDKDFRKY pol 273-282 HIV(B35)ARV2-6 RPQVPLRPMTY nef 75-85 HIV(B35)ARV2-9 RPQVPLRPM nef 75-83 HIV(B35)ARV2-12 LPPLERLTL rev 75-83 HIV(B35)ARV2-24 IPLTEEAEL pol 448-4568 HIV(B35)ARV2-33 DPNPQEVVL env 77-85		HIV(B35)POL-20	SPAIFQSSM	pol 311-319
HIV(B35)ARV2-25 EPIVGAETF pol 587-598 HIV(B35)-7 NPPIPVGEIY gag 255-264 HIV(B35)-8 EPFRDYVDRFY gag 293-303 HIV(B35)-15 EPPFLWMGY pol 379-387 HIV(B35)-19 EPFKNLKTGKY pol 587-598 HIV(B35)GAG-20 GPAATLEEM gag 340-348 HIV(B35)GAG-26 APPEESFRF gag 459-467 HIV(B35)ARV2-1 EPIDKELY gag 479-488 HIV(B35)ARV2-2 EPVHEVYY pol 467-474 HIV(B35)ARV2-4 VPLDKDFRKY pol 273-283 HIV(B35)ARV2-6 RPQVPLRPMTY nef 75-85 HIV(B35)ARV2-9 RPQVPLRPM nef 75-83 HIV(B35)ARV2-12 LPPLERLTL rev 75-83 HIV(B35)ARV2-24 IPLTEEAEL pol 448-458 HIV(B35)ARV2-33 DPNPQEVVL env 77-85		HIV(B35)ARV2-11	YPLTFGWCF	nef 139-147
HIV(B35)-7 NPPIPVGEIY gag 255-264 HIV(B35)-8 EPFRDYVDRFY gag 293-303 HIV(B35)-15 EPPFLWMGY pol 379-387 HIV(B35)-19 EPFKNLKTGKY pol 587-596 HIV(B35)GAG-20 GPAATLEEM gag 340-346 HIV(B35)ARV2-1 EPIDKELY gag 479-486 HIV(B35)ARV2-2 EPVHEVYY pol 467-474 HIV(B35)ARV2-4 VPLDKDFRKY pol 273-283 HIV(B35)ARV2-6 RPQVPLRPMTY nef 75-85 HIV(B35)ARV2-12 LPPLERLTL rev 75-83 HIV(B35)ARV2-12 LPPLERLTL rev 75-83 HIV(B35)ARV2-24 IPLTEEAEL pol 448-456 HIV(B35)ARV2-33 DPNPQEVVL env 77-85		HIV(B35)ARV2-19	YPLTSLRSL	gag 486-494
HIV(B35)-8 EPFRDYVDRFY gag 293-303 HIV(B35)-15 EPPFLWMGY pol 379-387 HIV(B35)-19 EPFKNLKTGKY pol 587-596 HIV(B35)GAG-20 GPAATLEEM gag 340-3467 HIV(B35)GAG-26 APPEESFRF gag 459-467 HIV(B35)ARV2-1 EPIDKELY gag 479-4867 HIV(B35)ARV2-2 EPVHEVYY pol 467-474 HIV(B35)ARV2-4 VPLDKDFRKY pol 273-285 HIV(B35)ARV2-6 RPQVPLRPMTY nef 75-85 HIV(B35)ARV2-9 RPQVPLRPM nef 75-83 HIV(B35)ARV2-12 LPPLERLTL rev 75-83 HIV(B35)ARV2-24 IPLTEEAEL pol 448-4567 HIV(B35)ARV2-33 DPNPQEVVL env 77-85		HIV(B35)ARV2-25	EPIVGAETF	pol 587-595
HIV(B35)-15 EPPFLWMGY pol 379-387 HIV(B35)-19 EPFKNLKTGKY pol 587-596 HIV(B35)GAG-20 GPAATLEEM gag 340-3467 HIV(B35)GAG-26 APPEESFRF gag 459-467 HIV(B35)ARV2-1 EPIDKELY gag 479-4867 HIV(B35)ARV2-2 EPVHEVYY pol 467-474 HIV(B35)ARV2-4 VPLDKDFRKY pol 273-282 HIV(B35)ARV2-6 RPQVPLRPMTY nef 75-85 HIV(B35)ARV2-9 RPQVPLRPM nef 75-83 HIV(B35)ARV2-12 LPPLERLTL rev 75-83 HIV(B35)ARV2-24 IPLTEEAEL pol 448-4567 HIV(B35)ARV2-33 DPNPQEVVL env 77-85	低親和性	HIV(B35)-7	NPPIPVGEIY	gag 255-264
HIV(B35)-19 EPFKNLKTGKY pol 587-596 HIV(B35)GAG-20 GPAATLEEM gag 340-346 HIV(B35)GAG-26 APPEESFRF gag 459-467 HIV(B35)ARV2-1 EPIDKELY gag 479-486 HIV(B35)ARV2-2 EPVHEVYY pol 467-474 HIV(B35)ARV2-4 VPLDKDFRKY pol 273-282 HIV(B35)ARV2-6 RPQVPLRPMTY nef 75-85 HIV(B35)ARV2-9 RPQVPLRPM nef 75-83 HIV(B35)ARV2-12 LPPLERLTL rev 75-83 HIV(B35)ARV2-24 IPLTEEAEL pol 448-456 HIV(B35)ARV2-33 DPNPQEVVL env 77-85		HIV(B35)-8	EPFRDYVDRFY	gag 293-303
HIV(B35)GAG-20 GPAATLEEM gag 340-348 HIV(B35)GAG-26 APPEESFRF gag 459-467 HIV(B35)ARV2-1 EPIDKELY gag 479-486 HIV(B35)ARV2-2 EPVHEVYY pol 467-474 HIV(B35)ARV2-4 VPLDKDFRKY pol 273-282 HIV(B35)ARV2-6 RPQVPLRPMTY nef 75-85 HIV(B35)ARV2-9 RPQVPLRPM nef 75-83 HIV(B35)ARV2-12 LPPLERLTL rev 75-83 HIV(B35)ARV2-24 IPLTEEAEL pol 448-456 HIV(B35)ARV2-33 DPNPQEVVL env 77-85		HIV(B35)-15	EPPFLWMGY	pol 379-387
HIV(B35)GAG-26 APPEESFRF gag 459-467 HIV(B35)ARV2-1 EPIDKELY gag 479-486 HIV(B35)ARV2-2 EPVHEVYY pol 467-474 HIV(B35)ARV2-4 VPLDKDFRKY pol 273-282 HIV(B35)ARV2-6 RPQVPLRPMTY nef 75-85 HIV(B35)ARV2-9 RPQVPLRPM nef 75-83 HIV(B35)ARV2-12 LPPLERLTL rev 75-83 HIV(B35)ARV2-24 IPLTEEAEL pol 448-456 HIV(B35)ARV2-33 DPNPQEVVL env 77-85		HIV(B35)-19	EPFKNLKTGKY	pol 587-596
HIV(B35)ARV2-1 EPIDKELY gag 479-486 HIV(B35)ARV2-2 EPVHEVYY pol 467-474 HIV(B35)ARV2-4 VPLDKDFRKY pol 273-282 HIV(B35)ARV2-6 RPQVPLRPMTY nef 75-85 HIV(B35)ARV2-9 RPQVPLRPM nef 75-83 HIV(B35)ARV2-12 LPPLERLTL rev 75-83 HIV(B35)ARV2-24 IPLTEEAEL pol 448-456 HIV(B35)ARV2-33 DPNPQEVVL env 77-85		HIV(B35)GAG-20	GPAATLEEM	gag 340-348
HIV(B35)ARV2-2 EPVHEVYY pol 467-474 HIV(B35)ARV2-4 VPLDKDFRKY pol 273-282 HIV(B35)ARV2-6 RPQVPLRPMTY nef 75-85 HIV(B35)ARV2-9 RPQVPLRPM nef 75-83 HIV(B35)ARV2-12 LPPLERLTL rev 75-83 HIV(B35)ARV2-24 IPLTEEAEL pol 448-456 HIV(B35)ARV2-33 DPNPQEVVL env 77-85		HIV(B35)GAG-26	APPEESFRF	gag 459-467
HIV(B35)ARV2-4 VPLDKDFRKY pol 273-282 HIV(B35)ARV2-6 RPQVPLRPMTY nef 75-85 HIV(B35)ARV2-9 RPQVPLRPM nef 75-83 HIV(B35)ARV2-12 LPPLERLTL rev 75-83 HIV(B35)ARV2-24 IPLTEEAEL pol 448-456 HIV(B35)ARV2-33 DPNPQEVVL env 77-85		HIV(B35)ARV2-1	EPIDKELY	gag 479-486
HIV(B35)ARV2-6 RPQVPLRPMTY nef 75-85 HIV(B35)ARV2-9 RPQVPLRPM nef 75-83 HIV(B35)ARV2-12 LPPLERLTL rev 75-83 HIV(B35)ARV2-24 IPLTEEAEL pol 448-456 HIV(B35)ARV2-33 DPNPQEVVL env 77-85		HIV(B35)ARV2-2	EPVHEVYY	pol 467-474
HIV(B35)ARV2-9 RPQVPLRPM nef 75-83 HIV(B35)ARV2-12 LPPLERLTL rev 75-83 HIV(B35)ARV2-24 IPLTEEAEL pol 448-456 HIV(B35)ARV2-33 DPNPQEVVL env 77-85		HIV(B35)ARV2-4	VPLDKDFRKY	pol 273-282
HIV(B35)ARV2-12 LPPLERLTL rev 75-83 HIV(B35)ARV2-24 IPLTEEAEL pol 448-456 HIV(B35)ARV2-33 DPNPQEVVL env 77-85		HIV(B35)ARV2-6	RPQVPLRPMTY	nef 75-85
HIV(B35)ARV2-24 IPLTEEAEL pol 448-456 HIV(B35)ARV2-33 DPNPQEVVL env 77-85		HIV(B35)ARV2-9	RPQVPLRPM	nef 75-83
HIV(B35)ARV2-33 DPNPQEVVL env 77-85		HIV(B35)ARV2-12	LPPLERLTL	rev 75-83
		HIV(B35)ARV2-24	IPLTEEAEL	pol 448-456
HIV(B35)ARV2-36 RPIVSTQLL env 255-263		HIV(B35)ARV2-33	DPNPQEVVL	env 77-85
		HIV(B35)ARV2-36	RPIVSTQLL	env 255-263

- (3) HLA-B*3501結合ペプチドを用いたHIV感染患者からのCTLの誘導 HLA-B* 3501をもった3人のHIV感染患者、患者A(HLA-A24/ 31, B35/61, Cw3/-)、患者B(HLA-A24/26, B35/ 61, Cw3/-) および患者C(HLA-A24/26, B35/51, Cw 3/-) からリンパ球を分離した。リンパ球の分離は通常のFicoll-Conray 比重 遠心法 (矢田純一、藤原道夫編著、"新リンパ球機能検索法"、中外医学社 (1987)、新生化学実験講座12"分子免疫学I"東京化学同人(1989))によった。 すなわちへパリン加注射器で採血後、生理食塩水で希釈、Ficoll-Paque分離液 (Pharmacia 社)上に重層後 4400 x g 3 0 分室温で遠心した。中間層のリンパ 球画分をピペットで回収、洗浄して以下に用いた。24穴培養プレートの各well に2×106 個のリンパ球を入れさらにヒトの recombinant IL2および合成ペ プチドの最終濃度が50U/mlおよび $1\mu M$ になるように調製したRPMI1640 (10%FCS含) 培養液で培養する。2日-3日おきに、50U/ml禮 度のIL2が入っているRPMI 1640 培養液を半量かえる。1週間後に、 PHAで刺激したのち放射線照射した自己リンパ球 (1×10°) と1μMの合 成ペプチドをそれぞれ加えて特異的CTL細胞を再刺激し増殖させた後、さらに 1週間培養し、CTL活性を測定した。
- (4) HLA-B* 3501結合ペプチドを用いて誘導されたCTLによる細胞障害活性の測定

4-1. T2-B*3501細胞の作製

TAP抗原遺伝子欠損ヒトリンパ細胞株T2細胞(Salter et al., EMBO J., 5. 943、(1986))にHLA-B* 3501遺伝子をelectroporation 法により遺伝子移入し、発現細胞をSFR・B6単クローン抗体を用いてflowcytometry によって選択した。この細胞をT2-B* 3501細胞と命名した。T2-B* 3501細胞は通産省工業技術院生命工学工業技術研究所に寄託されており、受託番号FERM BP-4726が付与されている。

HLA-B35の患者がHIVに感染し発病した場合、HIVに感染したリン

パ細胞は $HLA-B^*$ 3501抗原を細胞表面に発現しHIVペプチドを提示する。 $T2-B^*$ 3501細胞は、(2) で示した $RMA-S-B^*$ 3501細胞と同様に、26 C C 培養ではペプチドを結合していない $HLA-B^*$ 3501抗原を多量に発現する。そこで、この条件下でペプチドを結合させ、いわばHIV に感染したリンパ細胞を人為的に創り出し、CTLの細胞障害活性を測定する標的細胞として用いた。4-2. CTLの細胞障害活性の測定

 1×10^6 個のT $2 - B^*$ 3501細胞あるいはT 2 細胞を $100 \mu CioNa_2$ 51 Cr0、に 26 $^{\circ}$ $^{$

各穴の測定値ー最小放出値

特異的細胞障害活性=----×100

最大放出值一最小放出值

ただし、最小放出値は標的細胞のみはいっている穴の測定値で標的細胞からの 51 C r の自然遊離値、最大放出値は標的細胞に界面活性剤トリトンx - 1 0 0 を 加えて細胞を破壊した際の標識遊離値を示している。

結果を図2、3及び4に示す。図2はHIV(B35)-16(配列番号3)、図3はHIV(B35)-18(配列番号4)、図4はHIV(B35)POL-20(配列番号6)の結果である。合成ペプチドが結合したT2-B* 3501細胞を傷害するC7L0誘導にこれら合成ペプチドが有効であることが確認された。

同様の方法により表2に記載のペプチドについて、HIVに対する免疫応答を 誘導できるか否かについて調べた。このうちHIVに対する免疫応答を誘導でき

るペプチドをまとめて表3に示す。

表 3

生人の超和性	ペプチド	5 3 Ed	LL 000
結合の親和性	ヘノテト	配列	位_置
高親和性	HIV(B35)-14	NPDIVIYQY	pol 330-338
	HIV(B35)ARV2-8	FPVRPQVPL	nef 72-80
中親和性	HIV(B35)-16	TPPLVKLWY	pol 574-582
	HIV(B35)-18	EPIVGAETFY	pol 587-596
	HIV(B35)POL-20	SPAIFQSSM	pol 311-319
	HIV(B35)ARV2-11	YPLTFGWCF	nef 139-147
	HIV(B35)ARV2-25	EPIVGAETF	pol 587-595
低親和性	HIV(B35)ARV2-4	VPLDKDFRKY	pol 273-282
	HIV(B35)ARV2-6	RPQVPLRPMTY	nef 75-85
	HIV(B35)ARV2-24	IPLTEEAEL	pol 448-456
	HIV(B35)ARV2-33	DPNPQEVVL	env 77-85
	HIV(B35)ARV2-36	RPIVSTQLL	env 255-263
	HIV(B35)ARV2-38	LPCRIKQII	env 413-421

同様にMN株、NDK株、HXB2株HIV配列について検索し、表4に示すペプチドが選択された。

表 4

結合の親和性	ペプチド	配列	位置
高親和性	HIV(B35)GAG-24	FPQSRTEPT	gag 450-458(MN)
	HIV(B35)POL-5	FPISPIETV	pol 155-163
中親和性	HIV(B35)-17	VPLDEDFRKY	pol 182-191(HXB2)
	HIV(B35)-29	EPIIGAETFY	pol 586-595(NDK)
	HIV(B35)GAG-9	HPVHAGPIT	gag 219-227(MN)
	HIV(B35)GAG-29	YPLASLKSL	gag 490-498(MN)

低親和性	HIV(B35)-9	KPQVPLRPMTY	nef 73-83(MN)
	HIV(B35)-12	EPVHGVYY	pol 466-473(NDK)
	HIV(B35)-25	NPEIVIYQY	pol 329-327(NDK)
	HIV(B35)GAG-4	VPIVQNIEG	gag 135-143(MN)
	HIV(B35)POL-26	LPEKDSWTV	pol 401-409

実施例 2

HLA結合モチーフとして、8個~11個のアミノ酸配列であって、2番目が Pro、Ala QUG ly からなる群から選ばれるアミノ酸であり、<math>C末端が Ile、Leu、Val、Phe QUMet からなる群から選ばれるアミノ酸であるHLA-B51結合抗原ペプチドのモチーフを用い、かつ<math>SF-2株HIVの g000分配列及g000分配列及g000分に答を誘導できるペプチドを得た。このペプチドをまとめて表g000分に示す。尚、g000分に不分に示す。尚、g000分に不分に示す。尚、g000分に不分に不分に示す。尚、g000分に表g000分に表g000分に表g000分に表g000分に表g000分に表g000分に表g000分に表g000分に表g000分に表g000のに表g00のに表g00のに表g00のに表g00のに表g00のに表g00のに表g00のに表g00のに表

表 5

ペプチド	配 列	位置
HIV-B35-GAG-13(A55)	NPP I PVGE I	GAG255-264
HIV-B35-GAG-29(A69)	YPLASLKSL	GAG490-498
HIV-B35-POL-5(A74)	FPISPIETV	POL155-163
HIV-B35-POL-7(A76)	VPVKLKPGM	POL163-171
HIV-B35-POL-26(A95)	LPEKDSWTV	POL401-409
HIV-B35-SF2-8(C-1)	FPVRPQVPL	NEF71-80
HIV-B35-SF2-21(C-7)	YPLTSLRSL	GAG486-494
HIV-B35-SF2-27(C-12)	LPPVVAKEI	P0L743-751
HIV-B35-SF2-32(C-17)	FPRPWLHSL	VPR34-42
HIV-B35-SF2-35(C-20)	CPKVSFEPI	ENV208-216

HIV-B35-SF2-38(C-23)	LPCR1KQ11	ENV413-421
HIV-B35-33(C-31)	YPCTVNFT I	ENV618-626
HIV-B35-34(C-32)	LPALSTGL I	ENV682-690
HIV-B35-36(C-34)	CPSGHAVG I	ENV1171-1179
HIV-B35-39(C-37)	I PTSGDVV I	ENV1426-1434
HIV-B35-50(C-48)	LPPTIGPPI	ENV2316-2324
HIV-B35-55(C-53)	APTLWARM I	ENV2835-2843
HIV-B35-56(C-54)	EPLDLPQ11	ENV2874-2882
HIV-B51-3(H-3)	NANPDCKT I	GAG327-335
HIV-B51-7(H-7)	TAVQMAVF I	POL989-997
HIV-B51-9(H-9)	RAFHTTGR I	ENV316-324
HIV-B51-10(H-10)	YAPPIGGQI	ENV432-440
HIV-B51-11(H-11)	QARQLLSG I	ENV539-547
HIV-B51-12(H-12)	VAQRAYRAI	ENV831-839
HIV-B51-13(H-13)	RAYRAILHI	ENV834-842
HIV-B51-29(H-18)	VGPTPVNI I	POL133-141
HIV-B51-32(H-21)	QGWKGSPA I	POL306-314
HIV-B51-43(H-32)	VGGLVGLRI	ENV688-696
HIV-B51-53(H-42)	DARAYDTEV	ENV56-64
HIV-B51-54(H-43)	NALFRNLDV	ENV171-179
HIV-B51-70(H-50)	IPLGDAKLV	VIF57-65
HIV-B51-71(H-51)	GPCTNVSTV	ENV240-248
HIV-B51-83(H-63)	CGHKA I GTV	POL123-131

実施例3

HLA結合モチーフとして、8個~11個のアミノ酸配列であって、2番目が Leu、Val、Tyr及びPheからなる群から選ばれるアミノ酸であり、C 末端がArgであるHLA-A* 3101結合抗原ペプチドのモチーフを用い、かつ MN株HIVのタンパク配列又はSF-2株HIVのタンパク配列及びRMA-

S-A* 3101細胞用いた以外は実施例1と同様にして、HIVに対する免疫応答を誘導できるペプチドを得た。このペプチドをまとめて表6に示す。RMA-S-A* 3101細胞は、通産省工業技術院生命工学工業技術研究所に寄託されており、受託番号FERM BP-4833が付与されている。

表 6

ペプチド	配列	位置	K⁴値
C-119	IVMHSFNCR.	ENV373-381	3. 0×10^{-6}
C-121	VLAVERYLR	ENV579-587	9. 0×10^{-5}
C-117	NYRL I HCNR	ENV193-201	1.1×10 ⁻⁴
C-104	MVHQAISPR	GAG144-152	1.4×10 ⁻⁴
C-114	SVKKLTEDR	VIF165-173	1.4×10 ⁻⁴
C-124	SLCLFSYRR	ENV761-769	2, 2×10 ⁻⁴
C-125	CLFSYRRLR	ENV763-771	2.2×10 ⁻⁴
C-111	AVF I HNFKR	POL893-901	2.9×10 ⁻⁴
C-100	KLAFHHMAR	NEF192-200	3.7×10^{-4}
C-118	TVQCTHGIR	ENV247-255	7. 4×10^{-4}
C-113	ILGYRVSPR	VIF124-132	8.9×10 ⁻⁴
C-112	I VWQVDRMR	VIF9-17	>10-4
C-98	PVRPQVPLR	NEF73-81	>10-4
C-126	ILHIHRRIR	ENV838-846	>10-4
C-106	ELYPLTSLR	GAG424-432	>10-4
C-123	VLS I VNRVR	ENV700-708	>10-4
C-122	IVGGLVGLR	ENV687-695	>10-4

産業上の利用分野

本発明のペプチドは、HIVに対する免疫応答を誘導できるので、抗AIDS 予防・治療剤として有効に利用することができる。具体的には、上記ペプチドを

含有する抗AIDSワクチン、上記ペプチドをコードするDNA含む組換えDNAを有するワクシニアウイルス及びBCG菌を含有する抗AIDSワクチンとして利用することができる。又、上記ペプチドの存在下で、HLA-B抗原を有する抹消血リンパ球を培養して得られる細胞障害性T細胞を含有する抗AIDS治療剤として利用することができる。

配列表

配列番号:1

配列の長さ:9

配列の型:アミノ酸

トポロジー:直鎖状

配列の種類:ペプチド

起源

・生物名:ヒト免疫不全ウイルス(human immunodeficiency virus)

配列

Asn Pro Asp lle Val Ile Tyr Gln Tyr

配列番号:2

配列の長さ:9

配列の型:アミノ酸

トポロジー:直鎖状

配列の種類:ペプチド

起源

・生物名:ヒト免疫不全ウイルス(human immunodeficiency virus)

配列

Phe Pro Val Arg Pro Gln Val Pro Leu

配列番号:3

配列の長さ:9

配列の型:アミノ酸

トポロジー:直鎖状

配列の種類:ペプチド

起源

・生物名:ヒト免疫不全ウイルス(human immunodeficiency virus)

配列

Thr Pro Pro Leu Val Lys Leu Trp Tyr

配列番号: 4

配列の長さ:10

配列の型:アミノ酸

トポロジー:直鎖状

配列の種類:ペプチド

起源

・生物名:ヒト免疫不全ウイルス(human immunodeficiency virus)

配列

Glu Pro lle Val Gly Ala Glu Thr Phe Tyr

配列番号:5

配列の長さ:9

配列の型:アミノ酸

トポロジー:直鎖状

配列の種類:ペプチド

起源

・生物名:ヒト免疫不全ウイルス(human immunodeficiency virus)

配列

Ser Pro Ala Ile Phe Gin Ser Ser Met

配列番号:6

配列の長さ:9

配列の型:アミノ酸

トポロジー:直鎖状

配列の種類:ペプチド

起源

・生物名:ヒト免疫不全ウイルス(human immunodeficiency virus)

配列

Tyr Pro Leu Thr Phe Gly Trp Cys Phe

配列番号:7

配列の長さ:9

配列の型:アミノ酸

トポロジー:直鎖状

配列の種類:ペプチド

起源

・生物名:ヒト免疫不全ウイルス(human immunodeficiency virus)

配列

Glu Pro Ile Val Gly Ala Glu Thr Phe

配列番号:8

配列の長さ:10

配列の型:アミノ酸

トポロジー:直鎖状

配列の種類:ペプチド

起源

・生物名:ヒト免疫不全ウイルス(human immunodeficiency virus)

配列

Val Pro Leu Asp Lys Asp Phe Arg Lys Tyr

配列番号:9

配列の長さ:11

配列の型:アミノ酸

トポロジー:直鎖状

配列の種類:ペプチド

起源

・生物名:ヒト免疫不全ウイルス(human immunodeficiency virus)

配列

Arg Pro Gln Val Pro Leu Arg Pro Met Thr Tyr

配列番号:10

配列の長さ:9

配列の型:アミノ酸

トポロジー:直鎖状

配列の種類:ペプチド

起源

・生物名:ヒト免疫不全ウイルス(human immunodeficiency virus)

配列

Ile Pro Leu Thr Glu Glu Ala Glu Leu

配列番号:11

配列の長さ:9

配列の型:アミノ酸

トポロジー:直鎖状

配列の種類:ペプチド

起源

・生物名:ヒト免疫不全ウイルス(human immunodeficiency virus)

配列

Asp Pro Asn Pro Gln Glu Val Val Leu

配列番号:12

配列の長さ:9

配列の型:アミノ酸

トポロジー:直鎖状

配列の種類:ペプチド

起源

・生物名:ヒト免疫不全ウイルス(human immunodeficiency virus)

配列

Arg Pro Ile Val Ser Thr Gln Leu Leu

配列番号:13

配列の長さ:9

配列の型:アミノ酸

トポロジー:直鎖状

配列の種類:ペプチド

起源

・生物名:ヒト免疫不全ウイルス(human immunodeficiency virus)

配列

Leu Pro Cys Arg Ile Lys Gln Ile Ile

配列番号: 14

配列の長さ:9

配列の型:アミノ酸

トポロジー:直鎖状

配列の種類:ペプチド

起源

・生物名:ヒト免疫不全ウイルス(human immunodeficiency virus)

配列

Phe Pro Gln Ser Arg Thr Glu Pro Thr

配列番号:15

配列の長さ:9

配列の型:アミノ酸

トポロジー:直鎖状

配列の種類:ペプチド

起源

・生物名:ヒト免疫不全ウイルス(human immunodeficiency virus)

配列

Phe Pro Ile Ser Pro Ile Glu Thr Val

配列番号: 16

配列の長さ:10

配列の型:アミノ酸

トポロジー:直鎖状

配列の種類:ペプチド

起源

・生物名:ヒト免疫不全ウイルス(human immunodeficiency virus)

配列

Val Pro Leu Asp Glu Asp Phe Arg Lys Tyr

配列番号: 17

配列の長さ:10

配列の型:アミノ酸

トポロジー:直鎖状

配列の種類:ペプチド

起源

・生物名:ヒト免疫不全ウイルス(human immunodeficiency virus)

配列

Glu Pro Ile Ile Gly Ala Glu Thr Phe Tyr

配列番号:18

配列の長さ:9

配列の型:アミノ酸

トポロジー:直鎖状

配列の種類:ペプチド

起源

・生物名:ヒト免疫不全ウイルス(human immunodeficiency virus)

配列

His Pro Val His Ala Gly Pro Ile Thr

配列番号:19

配列の長さ:9

配列の型:アミノ酸

トポロジー:直鎖状

配列の種類:ペプチド

起源

・生物名:ヒト免疫不全ウイルス(human immunodeficiency virus)

配列

Tyr Pro Leu Ala Ser Leu Lys Ser Leu

配列番号:20

配列の長さ:11

配列の型:アミノ酸

トポロジー:直鎖状

配列の種類:ペプチド

起源

・生物名:ヒト免疫不全ウイルス(human immunodeficiency virus)

配列

Lys Pro Gin Val Pro Leu Arg Pro Met Thr Tyr

配列番号: 21

配列の長さ:8

配列の型:アミノ酸

トポロジー:直鎖状

配列の種類:ペプチド

起源

・生物名:ヒト免疫不全ウイルス(human immunodeficiency virus)

配列

Glu Pro Val His Gly Val Tyr Tyr

配列番号: 22

配列の長さ:9

配列の型:アミノ酸

トポロジー:直鎖状

配列の種類:ペプチド

起源

・生物名:ヒト免疫不全ウイルス(human immunodeficiency virus)

配列

Asn Pro Glu Ile Val Ile Tyr Gln Tyr

配列番号: 23

配列の長さ:9

配列の型:アミノ酸

トポロジー:直鎖状

配列の種類:ペプチド

起源

・生物名:ヒト免疫不全ウイルス(human immunodeficiency virus)

配列

Val Pro Ile Val Gln Asn Ile Glu Gly

配列番号: 2 4

配列の長さ:9

配列の型:アミノ酸

トポロジー:直鎖状

配列の種類:ペプチド

起源

・生物名:ヒト免疫不全ウイルス(human immunodeficiency virus)

配列

Leu Pro Glu Lys Asp Ser Trp Thr Val

配列番号:25

配列の長さ:9

配列の型:アミノ酸

トポロジー:直鎖状

配列の種類:ペプチド

起源

・生物名:ヒト免疫不全ウイルス(human immunodeficiency virus)

配列

Asn Pro Pro Ile Pro Val Gly Glu Ile

配列番号: 26

配列の長さ:9

配列の型:アミノ酸

トポロジー:直鎖状

配列の種類:ペプチド

起源

・生物名:ヒト免疫不全ウイルス(human immunodeficiency virus)

配列

Tyr Pro Leu Ala Ser Leu Lys Ser Leu

配列番号: 27

配列の長さ:9

配列の型:アミノ酸

トポロジー:直鎖状

配列の種類:ペプチド

起源

・生物名:ヒト免疫不全ウイルス (human immunodeficiency virus)

配列

Val Pro Val Lys Leu Lys Pro Gly Met

配列番号: 28

配列の長さ:9

配列の型:アミノ酸

トポロジー:直鎖状

配列の種類:ペプチド

起源

・生物名:ヒト免疫不全ウイルス (human immunodeficiency virus)

配列

Tyr Pro Leu Thr Ser Leu Arg Ser Leu

配列番号: 29

配列の長さ:9

配列の型:アミノ酸

トポロジー:直鎖状

配列の種類:ペプチド

起源

・生物名:ヒト免疫不全ウイルス(human immunodeficiency virus)

配列

Leu Pro Pro Val Val Ala Lys Glu Ile

配列番号:30

配列の長さ:9

配列の型:アミノ酸

トポロジー:直鎖状

配列の種類:ペプチド

起源

・生物名:ヒト免疫不全ウイルス (human immunodeficiency virus)

配列

Phe Pro Arg Pro Trp Leu His Ser Leu

配列番号: 3 1

配列の長さ:9

配列の型:アミノ酸

トポロジー:直鎖状

配列の種類:ペプチド

起源

・生物名:ヒト免疫不全ウイルス (human immunodeficiency virus)

配列

Cys Pro Lys Val Ser Phe Glu Pro Ile

配列番号: 32

配列の長さ:9

配列の型:アミノ酸

トポロジー:直鎖状

配列の種類:ペプチド

起源

・生物名:ヒト免疫不全ウイルス (human immunodeficiency virus)

配列

Asn Ala Asn Pro Asp Cys Lys Thr Ile

配列番号:33

配列の長さ:9

配列の型:アミノ酸

トポロジー:直鎖状

配列の種類:ペプチド

起源

・生物名:ヒト免疫不全ウイルス (human immunodeficiency virus)

配列

Thr Ala Val Gln Met Ala Val Phe Ile

配列番号: 3 4

配列の長さ:9

配列の型:アミノ酸

トポロジー:直鎖状

配列の種類:ペプチド

起源

・生物名:ヒト免疫不全ウイルス (human immunodeficiency virus)

配列

Arg Ala Phe His Thr Thr Gly Arg Ile

配列番号: 35

配列の長さ:9

配列の型:アミノ酸

トポロジー:直鎖状

配列の種類:ペプチド

起源

・生物名:ヒト免疫不全ウイルス (human immunodeficiency virus)

配列

Tyr Ala Pro Pro Ile Gly Gly Gln Ile

配列番号: 36

配列の長さ:9

配列の型:アミノ酸

トポロジー:直鎖状

配列の種類:ペプチド

起源

・生物名:ヒト免疫不全ウイルス (human immunodeficiency virus)

配列

Gln Ala Arg Gln Leu Leu Ser Gly Ile

配列番号: 37

配列の長さ:9

配列の型:アミノ酸

トポロジー:直鎖状

配列の種類:ペプチド

起源

・生物名:ヒト免疫不全ウイルス (human immunodeficiency virus)

配列

Val Ala Gln Arg Ala Tyr Arg Ala Ile

配列番号:38

配列の長さ:9

配列の型:アミノ酸

トポロジー:直鎖状

配列の種類:ペプチド

起源

・生物名:ヒト免疫不全ウイルス(human immunodeficiency virus)

配列

Arg Ala Tyr Arg Ala Ile leu His Ile

配列番号:39

配列の長さ:9

配列の型:アミノ酸

トポロジー:直鎖状

配列の種類:ペプチド

起源

・生物名:ヒト免疫不全ウイルス(human immunodeficiency virus)

配列

Val Gly Pro Thr Pro Val Asn Ile Ile

配列番号: 40

配列の長さ:9

配列の型:アミノ酸

トポロジー:直鎖状

配列の種類:ペプチド

起源

・生物名:ヒト免疫不全ウイルス(human immunodeficiency virus)

配列

Gln Gly Trp Lys Gly Ser Pro Ala Ile

配列番号: 41

配列の長さ:9

配列の型:アミノ酸

トポロジー:直鎖状

配列の種類:ペプチド

起源

・生物名:ヒト免疫不全ウイルス (human immunodeficiency virus)

配列

Val Gly Gly Leu Val Gly Leu Arg Ile

配列番号: 42

配列の長さ:9

配列の型:アミノ酸

トポロジー:直鎖状

配列の種類:ペプチド

起源

・生物名:ヒト免疫不全ウイルス(human immunodeficiency virus)

配列

Asp Ala Arg Ala Tyr Asp Thr Glu Val

配列番号: 43

配列の長さ:9

配列の型:アミノ酸

トポロジー:直鎖状

配列の種類:ペプチド

起源

・生物名:ヒト免疫不全ウイルス(human immunodeficiency virus)

配列

Asn Ala Leu Phe Arg asn Leu Asp Val

配列番号: 4 4

配列の長さ:9

配列の型:アミノ酸

トポロジー:直鎖状

配列の種類:ペプチド

起源

・生物名:ヒト免疫不全ウイルス(human immunodeficiency virus)

配列

Ile Pro Leu Gly Asp Ala Lys Leu Val

配列番号: 45

配列の長さ:9

配列の型:アミノ酸

トポロジー:直鎖状

配列の種類:ペプチド

起源

・生物名:ヒト免疫不全ウイルス (human immunodeficiency virus)

配列

Gly Pro Cys Thr Asn Val Ser Thr Val

配列番号: 46

配列の長さ:9

配列の型:アミノ酸

トポロジー:直鎖状

配列の種類:ペプチド

起源

・生物名:ヒト免疫不全ウイルス (human immunodeficiency virus)

配列

Cys Gly His Lys Ala Ile Gly Thr Val

配列番号: 47

配列の長さ:9

配列の型:アミノ酸

トポロジー:直鎖状

配列の種類:ペプチド

起源

・生物名:ヒト免疫不全ウイルス(human immunodeficiency virus)

配列

Ile Val Met His Ser Phe Asn Cys Arg

配列番号: 48

配列の長さ:9

配列の型:アミノ酸

トポロジー:直鎖状

配列の種類:ペプチド

起源

・生物名:ヒト免疫不全ウイルス(human immunodeficiency virus)

配列

Val Leu Ala Val Glu Arg Tyr Leu Arg

配列番号: 49

配列の長さ:9

配列の型:アミノ酸

トポロジー:直鎖状

配列の種類:ペプチド

起源

・生物名:ヒト免疫不全ウイルス (human immunodeficiency virus)

配列

Asn Tyr Arg Leu Ile His Cys Asn Arg

配列番号:50

配列の長さ:9

配列の型:アミノ酸

トポロジー:直鎖状

配列の種類:ペプチド

起源

・生物名:ヒト免疫不全ウイルス (human immunodeficiency virus)

配列

Met Val His Gln Ala Ile Ser Pro Arg

配列番号: 51

配列の長さ:9

配列の型:アミノ酸

トポロジー:直鎖状

配列の種類:ペプチド

起源

・生物名:ヒト免疫不全ウイルス(human immunodeficiency virus)

配列

Ser Val Lys Lys Leu Thr Glu Asp Arg

配列番号:52

配列の長さ:9

配列の型:アミノ酸

トポロジー:直鎖状

配列の種類:ペプチド

起源

・生物名:ヒト免疫不全ウイルス(human immunodeficiency virus)

配列

Ser Leu Cys Leu Phe Ser Tyr Arg Arg

配列番号:53

配列の長さ:9

配列の型:アミノ酸

トポロジー:直鎖状

配列の種類:ペプチド

起源

・生物名:ヒト免疫不全ウイルス (human immunodeficiency virus)

配列

Cys Leu Phe Ser Tyr Arg Arg Leu Arg

配列番号:54

配列の長さ:9

配列の型:アミノ酸

トポロジー:直鎖状

配列の種類:ペプチド

起源

・生物名:ヒト免疫不全ウイルス(human immunodeficiency virus)

配列

Ala Val Phe Ile His Asn Phe Lys Arg

配列番号:55

配列の長さ:9

配列の型:アミノ酸

トポロジー:直鎖状

配列の種類:ペプチド

起源

・生物名:ヒト免疫不全ウイルス(human immunodeficiency virus)

配列

Lys Leu Ala Phe His His Met Ala Arg

配列番号:56

配列の長さ:9

配列の型:アミノ酸

トポロジー:直鎖状

配列の種類:ペプチド

起源

・生物名:ヒト免疫不全ウイルス (human immunodeficiency virus)

配列

Thr Val Gln Cys Thr His Gly Ile Arg

配列番号: 57

配列の長さ:9

配列の型:アミノ酸

トポロジー:直鎖状

配列の種類:ペプチド

起源

・生物名:ヒト免疫不全ウイルス (human immunodeficiency virus)

配列

Ile Leu Gly Tyr Arg Val Ser Pro Arg

配列番号:58

配列の長さ:9

配列の型:アミノ酸

トポロジー:直鎖状

配列の種類:ペプチド

起源

・生物名:ヒト免疫不全ウイルス(human immunodeficiency virus)

配列

lle Val Trp Gln Val Asp Arg Met Arg

配列番号:59

配列の長さ:9

配列の型:アミノ酸

トポロジー:直鎖状

配列の種類:ペプチド

起源

・生物名:ヒト免疫不全ウイルス(human immunodeficiency virus)

配列

Pro Val Arg Pro Gln Val Pro Leu Arg

配列番号:60

配列の長さ:9

配列の型:アミノ酸

トポロジー:直鎖状

配列の種類:ペプチド

起源

・生物名:ヒト免疫不全ウイルス(human immunodeficiency virus)

配列

Ile Leu His Ile His Arg Arg Ile Arg

配列番号: 6 1

配列の長さ:9

配列の型:アミノ酸

トポロジー:直鎖状

配列の種類:ペプチド

起源

・生物名:ヒト免疫不全ウイルス(human immunodeficiency virus)

配列

Glu Leu Tyr Pro Leu Thr Ser Leu Arg

配列番号:62

配列の長さ:9

配列の型:アミノ酸

トポロジー:直鎖状

配列の種類:ペプチド

起源

・生物名:ヒト免疫不全ウイルス(human immunodeficiency virus)

配列

Val Leu Ser lie Val Asn Arg Val Arg

配列番号: 63

配列の長さ:9

配列の型:アミノ酸

トポロジー:直鎖状

配列の種類:ペプチド

起源

・生物名:ヒト免疫不全ウイルス (human immunodeficiency virus)

配列

Ile Val Gly Gly Leu Val Gly Leu Arg

配列番号: 64

配列の長さ:27

配列の型:核酸

トポロジー:直鎖状

鎖の数:二本鎖

起源

・生物名:ヒト免疫不全ウイルス(human immunodeficiency virus)

配列

ACTCCGCCGC TGGTTAAACT GTGGTAC

配列番号:65

配列の長さ:30

配列の型:核酸

トポロジー:直鎖状

鎖の数:二本鎖

起源

・生物名:ヒト免疫不全ウイルス(human immunodeficiency virus)

配列

GAACCGATCG TTGGTGCTGA AACTTTCTAC

配列番号:66

配列の長さ:27

配列の型:核酸

トポロジー:直鎖状

鎖の数:二本鎖

起源

・生物名:ヒト免疫不全ウイルス(human immunodeficiency virus)

配列

TCTCCGGCTA TCTTCCAGTC TTCTATG

請求の範囲

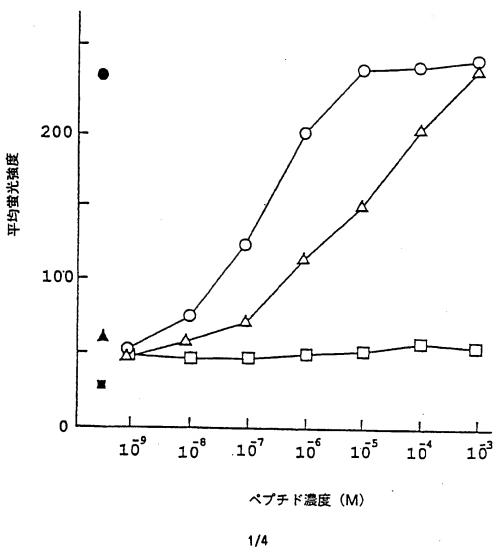
1. HIVの全たんぱくの断片であって、該断片が8個~11個のアミノ酸の連続する配列を含むペプチドであり、HLA結合モチーフに相当し、実際にHLAに結合し、かつHIV感染細胞を標的とするキラー細胞を誘導しえるペプチド。

- 2. 該ペプチドが9個~11個のアミノ酸の連続する配列を有する請求項1記載のペプチド。
- 3. 該ペプチドが、配列番号1~63のいずれかのアミノ酸配列を有するペプチドである請求項1記載のペプチド。
- 4. HLA結合モチーフが、8個~11個のアミノ酸配列であって、2番目が Pro、C末端がTyr、Leu、Ile、Met、Phe及びAlaからなる 群から選ばれるアミノ酸である請求項1記載のペプチド。
- 5. 該ペプチドが、配列番号 1 ~ 2 4 のいずれかのアミノ酸配列を有するペプチド である請求項 4 記載のペプチド。
- 6. 該ペプチドが、配列番号1~13のいずれかのアミノ酸配列を有するペプチド である請求項4記載のペプチド。
- 7. HLA結合モチーフが、8個~11個のアミノ酸配列であって、2番目が Pro、Ala及びGlyからなる群から選ばれるアミノ酸であり、C末端が Ile、Leu、Val、Phe及びMetからなる群から選ばれるアミノ酸で ある請求項1記載のペプチド。
- 8. 該ペプチドが、配列番号 2 5 ~ 4 6 のいずれかのアミノ酸配列を有するペプチドである請求項 7 記載のペプチド。
- 9. HLA結合モチーフが、8個~11個のアミノ酸配列であって、2番目が Leu、Val、Tyr及びPheからなる群から選ばれるアミノ酸であり、C 末端がArgである請求項1記載のペプチド。
- 10. 該ペプチドが、配列番号 $4.7 \sim 6.3$ のいずれかのアミノ酸配列を有するペプチドである請求項 9 記載のペプチド。
- 11. 請求項1記載のペプチドをコードするDNA。
- 12. 請求項1記載のペプチド及び医薬的に許容される担体及び/又は希釈剤を含む抗AIDS予防・治療剤。

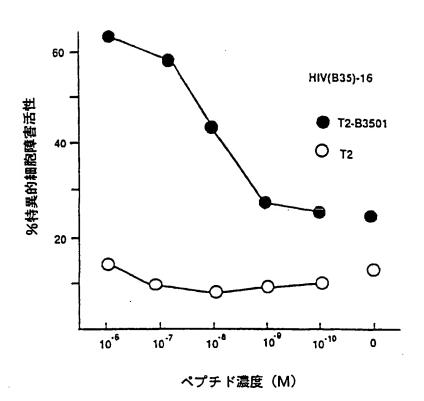
13. 請求項3記載のペプチド及び医薬的に許容される担体及び/又は希釈剤を含む抗AIDS予防・治療剤。

- 14. 請求項4記載のペプチド及び医薬的に許容される担体及び/又は希釈剤を含む抗AIDS予防・治療剤。
- 15. 請求項 6 記載のペプチド及び医薬的に許容される担体及び/又は希釈剤を含む抗AIDS予防・治療剤。
- 16. 請求項1記載のペプチドをAIDS患者に投与することによりAIDSを治療する方法。
- 17. HIVの全たんぱくの断片であって、8個~11個のアミノ酸の連続する配列を含み、HLA結合モチーフに相当するペプチドを合成し、合成ペプチドのうち実際にHLAに結合するものを選択し、次いで選択した合成ペプチドのうちHLAクラスI抗原に結合してHIV疾患患者の末梢リンパ球を刺激してキラー細胞を誘導するものを採取することを特徴とするHIV感染細胞を標的とするキラー細胞を誘導しえるペプチドを採取する方法。

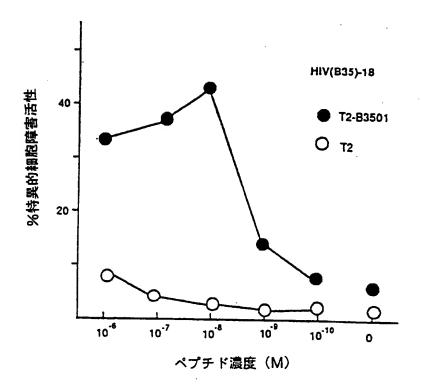
FIG.



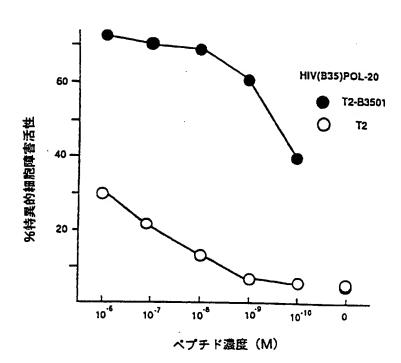
F I G. 2



F I G. 3



F I G. 4



围陷模式 INTERNATIONAL FORM

特許手続上の微生物の寄託の国際的承認 に関するブダペスト条約

RECEIPT IN THE CASE OF AN ORIGINAL

PATENT PROCEDURE

BUDAPEST TREATY ON THE INTERNATIO+ NAL RECOGNITION OF THE DEPOSIT OF MICROORGANISMS FOR THE PURPOSES OF

下記国際寄託当局によって規則7.1に従い 発行される

DEPOSIT

原寄託についての受託証

issued pursuant to Rule 7.1 by the INTERNATIONAL DEPOSITARY AUTHORITY identified at the bottom of this page.

殿

氏名 (名称)

味の素株式会社

代表取締役社長 鳥羽 董

寄託者

104 あて名

東京都中央区京橋一丁目15番1号

1. 微生物の表示 (寄託者が付した識別のための表示) (受託番号) RMA-S-B* 3501 FERM BP- 4727 Ⅱ. 科学的性質及び分類学上の位置 I欄の敬生物には、次の事項を記載した文書が添付されていた。 **区** 科学的性質 図 分類学上の位置 Ⅲ. 受領及び受託 本国際寄託当局は、平成 5年 10月15日(原寄託日)に受領した「欄の微生物を受託する。 Ⅳ. 移管請求の受領 本国際寄託当局は、平成 5年 10月15日 (原寄託日) に [欄の微生物を受領した。 そして、平成 6年 6月30日に原寄託よりブダペスト条約に基づく寄託への移管請求を受領した。 **平成 5年 10月15日に寄託された微工研園寄第 P- 13909** 号より移管) V. 国際寄託当局 通商産業省工業技術院生命工学工業技術研究所 National Instruction Out oscience and Human-Technology
Agency of industrial Science and Technology 名 称:

原生命三原

所 長 鉿 木 Osamu

S/1-2-W-Kill Dit. . DIRECTOR GENERAL.

あて名:日本国茨城県ウベルは近東1丁目1番3号(郵便番号305) 1-3. Higashi 1 chome Tsukuba-shi Ibaraki-ken

305. JAPAN

6年(1994) 6月 30日 平成

્યુ

INTERNATIONAL FORM 田際様式

特許手続上の微生物の寄託の国際的承認 に関するブダペスト条約

BUDAPEST TREATY ON THE INTERNATIO-NAL RECOGNITION OF THE DEPOSIT OF MICROORGANISMS FOR THE PURPOSES OF PATENT PROCEDURE

RECEIPT IN THE CASE OF AN ORIGINAL DEPOSIT

下記国際寄託当局によって規則7.1に従い 発行される

原寄託についての受託証

issued pursuant to Rule 7.1 by the INTERNATIONAL DEPOSITARY AUTHORITY identified at the bottom of this

殿

氏名(名称)

味の紫株式会社

代表取締役社長

鳥羽 董

寄託者

あて名 **104**

東京都中央区京橋一丁目15番1号

1. 微生物の表示

(寄託者が付した識別のための表示) T2-B*3501

(受託番号)

FERM BP- 4726

Ⅱ. 科学的性質及び分類学上の位置

【 欗の微生物には、次の事項を記載した文書が添付されていた。

区 科学的性質

図 分類学上の位置

Ⅲ. 受領及び受託

Şu-

5年 10月15日 (原寄託日) に受領した [欄の微生物を受託する。 本国際寄託当局は、平成

IV. 移管請求の受領

本国際寄託当局は、平成 5年 10月15日 (原寄託日) に I 欄の微生物を受領した。 そして、平成 6年 6月30日に原寄託よりブダベスト条約に基づく寄託への移管請求を受領した。 (平成 5年 10月15日に寄託された微工研菌寄第 P- 13908 号より移管)

V. 国際寄託当局

名 称:

通商産業省工業技術院生命工学工業技術研究所

National Ins

所 長

生命互配 鈴 木 Osamu

ラ中央 DI. DIRECTOR GENERAL.

あて名: 日本国茨城県 京阪正英田茂 1 丁目 1 番 3 号 (郵便番号 3 0 5) 1-3. Higashi 1 chome Tsukuba-shi Ibaraki-ken

305. JAPAN

6年 (1994) 6月 30日 平成



国際様式 INTERNATIONAL FORM

特許手続上の微生物の寄託の国際的承認 に関するブダペスト条約

BUDAPEST TREATY ON THE INTERNATIO-NAL RECOGNITION OF THE DEPOSIT OF MICROORGANISMS FOR THE PURPOSES OF PATENT PROCEDURE

RECEIPT IN THE CASE OF AN ORIGINAL DEPOSIT

下記国際寄託当局によって規則7.1に従い 発行される

issued pursuant to Rule 7.1 by the INTERNATIONAL DEPOSITARY AUTHORITY identified at the bottom of this

殿

原寄託についての受託証

氏名 (名称)

味の素株式会社

代表取締役社長

鳥羽 董

page.

寄託者

あて名 **104**

東京都中央区京橋一丁目15番1号

1. 微生物の表示 (寄託者が付した識別のための表示) (受託番号) RMS-S-B* 5101 FERM BP- 4834 Ⅱ. 科学的性質及び分類学上の位置 I 欄の散生物には、次の事項を記載した文書が添付されていた。 区 科学的性質 図 分類学上の位置 Ⅲ. 受領及び受託 本国際寄託当局は、平成 6 年 10月 14日 (原寄託日) に受領した I 欄の微生物を受託する。 IV. 移管請求の受領 本国際寄託当局は、 日(原寄託日)に「欄の微生物を受領した。 日に原寄託よりブダペスト条約に基づく寄託への移管請求を受領した。 そして、 年 V. 国際寄託当局 通商産業省工業技術院生命工学工業技術研究所 National Instruction Cub oscience and Human-Technology
Agency of Andre Line | Science and Technology 名 称: 原工金出記 所 長 鈴木 Osamu SALZUKILLIDI. DIRECTOR GENERAL. あて名: 日本国茨城県 おばに使ご事実 1 丁目1番3号(郵便番号305) 1-3. Higashi 1 chome Tsukuba-shi lbaraki-ken 305. JAPAN 6年(1994) 10月 14日 平成

Ģ

国際様式 INTERNATIONAL FORM

特許手続上の微生物の寄託の国際的承認

BUDAPEST TREATY ON THE INTERNATIO-NAL RECOGNITION OF THE DEPOSIT OF MICROORGANISMS FOR THE PURPOSES OF PATENT PROCEDURE

RECEIPT IN THE CASE OF AN ORIGINAL DEPOSIT

下記国際寄託当局によって規則7.1に従い 発行される

原寄託についての受託証

issued pursuant to Rule 7.1 by the INTERNATIONAL DEPOSITARY AUTHORITY identified at the bottom of this Page.

氏名 (名称)

に関するブダペスト条約

味の粜株式会社

代表取締役社長 鳥羽 萱

寄託者

名 称:

あて名 🗇 104 殿

東京都中央区京橋一丁目15番1号 1. 微生物の表示 (寄託者が付した識別のための表示) (受託番号) RMS-S-A* 3101 FERM BP- 4833 Ⅱ. 科学的性質及び分類学上の位置 I欄の微生物には、次の事項を記載した文書が添付されていた。 区 科学的性質 図 分類学上の位置 Ⅲ. 受領及び受託 本国際寄託当局は、平成 6 年 10月 14日 (原寄託日) に受領した [欄の微生物を受託する。 IV. 移管請求の受領 本国際寄託当局は、 . 年 日(原寄託日)に「欗の微生物を受領した。 そして、 日に原寄託よりブダペスト条約に基づく寄託への移管請求を受領した。 年 月 V. 国際客託当局 通商産業省工業技術院生命工学工業技術研究所

National Institutes of the Science and Human-Technology
Agency of Fifth Science and Technology

原出命互序 鈴木

STEER MINITE DIRECTOR GENERAL. Osamu

あて名:日本国茨城県に応配金1丁目1番3号(郵便番号305) 1-3. Higashi 1 chome Tsukuba-shi Ibaraki-ken

305. JAPAN

平成 6年(1994) 10月 14日

INTERNATIONAL SEARCH REPORT

International application No.
PCT/JP94/01756

A. CLASSIFICATION OF SUBJECT MATTER				
	Int. Cl ⁶ C07K7/06, C07K14/155, A61K38/08			
	to International Patent Classification (IPC) or to bot LDS SEARCHED	h national classification and IPC		
	ocumentation searched (classification system followed)	hu alassificacion sumbolo)		
	. C1 ⁵ C07K7/06, A61K37/02	oy classification symbols)		
Documentat	tion searched other than minimum documentation to the	extent that such documents are included in the	ne fields searched	
	ata base consulted during the international search (name	e of data base and, where practicable, search t	terms used)	
C. DOCU	MENTS CONSIDERED TO BE RELEVANT			
Category*	Citation of document, with indication, where	appropriate, of the relevant passages	Relevant to claim No.	
х	JP, A, 4-507100 (Medical I December 10, 1992 (10. 12. Claim & WO, Al, 91/1996 &	. 92),	1-4, 7-8 11-15, 17	
x	WO, A1, 93/10816 (BOARD OF REGENTS, THE UNIVERSITY OF TEXAS SYSTEM), June 10, 1993 (10. 06. 93), Lines 9 to 21, page 10, PEPTIDE116 of TABLE 3, & AU, A, 9332339		1-3, 7-8 11-15, 17	
Р, А	J. Exp. Med. Vol. 180, No. 3, (1994), Isabelle Couillin. et al "Impaired Cytotoxic T Lymphocyte Recognition Due to Genetic Variations in the Main Immunogenic Region of the Human Immunodeficiency Virus 1 NEF Protein, Page 1129 to 1134, Particularly Summary, Figure 2		1-7, 11-15 17	
A	Journal of Virology, Vol. 67, No. 2, (1993), Florence Buseyne, et al "Gag-Specific Cytotoxic T Lymphocytes from Human		1-3, 9-15, 17	
X Further	r documents are listed in the continuation of Box C.	See patent family annex.		
"A" documen	cial categories of cited documents: "T" later document published after the international filing date or priorit date and not in conflict with the application but cited to understang the principle or theory underlying the invention			
"L" document cited to	ocument but published on or after the international filing date of which may throw doubts on priority claim(s) or which is establish the publication date of another citation or other eason (as specified)	considered novel or cannot be considered novel or cannot be considered step when the document is taken along	ered to involve an inventive	
"O" document referring to an oral disclosure, use, exhibition or other means considered to involve an inventive step when the d combined with one or more other such documents, such or		step when the document is locuments, such combination		
"P" document published prior to the international filing date but later than the priority date claimed		being obvious to a person skilled in the		
Date of the a	Date of the actual completion of the international search Date of mailing of the international search report			
Decer	mber 26, 1994 (26. 12. 94)	January 31, 1995 (31	01. 95)	
Name and mailing address of the ISA/		Authorized officer		
Japanese Patent Office				
Facsimile No.		Telephone No		

Form PCT/ISA/210 (second sheet) (July 1992)

INTERNATIONAL SEARCH REPORT

International application No.
PCT/JP94/01756

0.40		PC1/C	TP94/01756
C (Continu	ation). DOCUMENTS CONSIDERED TO BE RELEVANT		
Category*	Citation of document, with indication, where appropriate, of the rele	vant passages	Relevant to claim N
	Immunodeficiency Virus Type 1-Infected Individuals: Gag Epitopes Are Clusters Three Regions of the P24gag Protein", Page 694 to 702, Particularly Abstract TABLE 2	ed in	
A	JP, A, 5-500517 (Board of Regent, the University of Texas System), February 4, 1993 (04. 02. 93), Claim & WO, A1, 91/4045 & US, A, 51283 & EP, A1, 491861		1-2, 11-15
			·
		·	

Form PCT/ISA/210 (continuation of second sheet) (July 1992)

INTERNATIONAL SEARCH REPORT

International application No.
PCT/JP94/01756

Box I	Observations where certain claims were found unsearchable (Continuation of item 1 of first sheet)		
This international search report has not been established in respect of certain claims under Article 17(2)(a) for the following reasons:			
1. X	Claims Nos.: 16 because they relate to subject matter not required to be searched by this Authority, namely:		
по	Claim 16 pertains to methods for treatment of humans by therapy, and thus lates to a subject matter which this International Searching Authority is t required, under the provisions of Article 17(2)(a)(i) of the PCT and le 39.1(iv) of the Regulations under the PCT, to search.		
2.	Claims Nos.: because they relate to parts of the international application that do not comply with the prescribed requirements to such an extent that no meaningful international search can be carried out, specifically:		
3.	Claims Nos.: because they are dependent claims and are not drafted in accordance with the second and third sentences of Rule 6.4(a).		
Box II	Observations where unity of invention is lacking (Continuation of item 2 of first sheet)	-	
This Inter	rnational Searching Authority found multiple inventions in this international application, as follows:		
_		ı	
1. []	As all required additional search fees were timely paid by the applicant, this international search report covers all searchable claims.		
2. 🔲 🤅	As all searchable claims could be searched without effort justifying an additional fee, this Authority did not invite payment of any additional fee.		
3. 🗌 🔏	As only some of the required additional search fees were timely paid by the applicant, this international search report covers only those claims for which fees were paid, specifically claims Nos.:		
4. 1	No required additional search fees were timely paid by the applicant. Consequently, this international search report is estricted to the invention first mentioned in the claims; it is covered by claims Nos.:		
Remark o	n Protest The additional search fees were accompanied by the applicant's protest.		
	No protest accompanied the payment of additional search fees.		

国際調査報告	国際出願参号 PCT/JP	94/01756
A. 発明の属する分野の分類(国際特許分類(IPC))		
Int. C. C. 07K7/06,	C07K14/155, A61]	K38/08
B. 調査を行った分野	,	
調査を行った最小限資料(国際特許分類(1PC))		
Int. CL3 C07K7/06,	A 6 1 K 3 7 / 0 2	
最小限資料以外の資料で調査を行った分野に含まれるもの		
国際調査で使用した電子データベース(データベースの名称、調査 CAS ONLINE	査に使用した用語)	
C. 関連すると認められる文献		
引用文献の カテゴリー* 引用文献名 及び一部の箇所が関連す	するときは、その関連する箇所の表示	関連する 請求の範囲の番号
X JP, A, 4-507100(メディ 10. 12月. 1992(10. 12 請求の範囲をWO, A1, 91/1 をEP, A2, 412766	2. 92),	1-4, 7-8 11-15, 17
X WO, A1, 93/10816(BO THE UNIVERSITY OF 10. 6月. 1993(10. 06. 10頁9行-21行, TABLE	TEXAS SYSTEM), 93).	1-3, 7-8 11-15, 17
✓ C棚の続きにも文献が列挙されている。	パテントファミリーに関する別紙	を参照。
* 引用文献のカテゴリー 「A」特に関連のある文献ではなく、一般的技術水準を示すもの 「E」先行文献ではあるが、国際出願日以後に公表されたもの 「L」優先権主張に疑義を提起する文献又は他の文献の発行日若しくは他の特別な理由を確立するために引用する文献 (理由を付す) 「O」口頭による開示、使用、展示等に言及する文献 「P」国際出願日前で、かつ優先権の主張の基礎となる出願の日の後に公表された文献	「T」国際出願日又は優先日後に公表され 矛盾するものではなく、発明の原理 に引用するもの 「X」特に関連のある文献であって、当該 性又は進歩性がないと考えられるも 「Y」特に関連のある文献であって、当該 献との、当業者にとって自明である がないと考えられるもの 「&」同一パテントファミリー文献	又は理論の理解のため 文献のみで発明の新規 の 文献と他の1以上の文
国際調査を完了した日	国際調査報告の発送日	
26.12.94	31.01.9	5
8称及びあて先 日本国特許庁(ISA/JP) 郵便番号100 東京都千代田区霞が関三丁目4番3号	今 村 玲英子 ⊕ └─	H 9 1 6 0

(統會).	関連すると認められる文献	
用文献の テゴリー#	引用文献名 及び一部の箇所が関連するときは、その間連する箇所の表示	関連する 請求の範囲の番号
Р, А	& AU, A, 9332339 J. Exp. Med. 第180巻, 第3号, (1994), Isabelle Couillin et al [Impaired Cytotoxic T Lymphocyte Recognition Due to Genetic Variations in the Main Immunogenic Region of the Human Immunodeficiency Virus 1 NEF Protein], P.1129-P. 1134, 特氏 Summary, Figure 2	1-7, 11-1: 17
A	Journal of Virology, 第67卷, 第2号, (1993), Florence Buseyne, et al [Gag-Specifie Cytotoxic T Lymphocytes from Human Immunodeficiency Virus Type 1-Infected Individuals: Gag Epitopes Are Clustered in Three Regions of the p24ses Protein], p694-p.702, 特化Abstracts, TABLE 2	1-3, 9-15, 17
	JP, A, 5-500517(ボード オブ リージエンツ, ザ ユニバーシテイ オブ テキサス システム), 4. 2月. 1993(04. 02. 93), 請求の範囲をWO, A1, 91/4045 &US, A, 5128319&EP, A1, 491861	1-2, 11-15 17
	a	

- 1	弗!他	毎米の範囲の一部の頂養ができたいときの春日(客)は、いるとの仕と	_
ŀ		このでは、これでは、「おり、「おり、「かり」の続き)	
	体养 0	3条第3項(PCT17条(2)(a))の規定により、この国際調査報告は次の理由により請求の範囲の一部について作成しなかった。	
	1.	請求の範囲 16 は、この国際調査機関が調査をすることを要しない対象に係るものである。 つまり、	
1		請求の範囲16は、人の治療による処置方法に関するものであるから、 PCT1.7条(0)(a)(4) F F P. G F H P V I	
-		PCT17条(2)(a)(i)及びPCT規則39.1(iV)の規定により、この国際調	
		査機関が調査をすることを要しない対象に係るものである。 	
	2. [請求の範囲 は、有音楽な団座選奏をすることができる。第二十二十二十二十二十二十二十二十二十二十二十二十二十二十二十二十二十二十二十	
		の部分に係るものである。つまり、 ・・・・・・・・・・・・・・・・・・・・・・・・・・・・・・・・・・・・	額
1			
1	з. Г	請求の範囲 は 従属語文の新聞でき、エロCの特別。	
Γ	٠. ٢	請求の範囲は、従属請求の範囲であってPCT規則6.4 (a)の第2文及び第3文の規定に従って 載されていない。	51
L			
3	工程	発明の単一性が欠如しているときの意見(第1ページの2の続き)	_
	w		_
1	Ø(C)	述べるようにこの国際出願に二以上の発明があるとこの国際調査機関は認めた。	
l			
			1
			١
1.	_	WE LANGE TO SERVICE THE SERVIC	1
٠.	<u> </u>	出願人が必要な追加調査手数料をすべて期間内に納付したので、この国際調査報告は、すべての調査可能な請求の範囲について 作成した。	
2.	_	追加選挙王教教太照在サスキアをセノ、 ナルテクロテール	l
	ـــا] 追加調査手数料を要求するまでもなく、すべての調査可能な請求の範囲について調査することができたので、追加調査手数料の 納付を求めなかった。	
3.		出願人が必要な治知爾泰毛教教表一部のより心理場合にはは、	
	_] 出願人が必要な追加調査手数料を一部のみしか期間内に納付しなかったので、この国際調査報告は、手数料の納付のあった次の 請求の範囲のみについて作成した。	l
			l
4.		出願人が必要な追加調査手数料を期間内に納付しなかったので、この国際調査報告は、請求の範囲の最初に記載されている発明 に係る次の請求の範囲について作成した。	
	_	に係る次の請求の範囲について作成した。	
追加	調査手	F数料の異議の申立てに関する注意	
	H	追加調査手数料の納付と共に出願人から異議申立てがあった。 追加調査手数料の納付と共に出願人から異議申立てがなかった。	ı
		ンスキャール こうご はない こうべき こうべき こうじゅ	

Sub account: EWEBER/18623-0058300EP/DMW

File 351:DERWENT WPI 1963-1999/UD=, UM=, & UP=199953

Set Items Description -----S1 1 PN=WO 9511255

t s1/3,pi,fd,ab

1/3, PI, FD, AB/1

010268933

WPI Acc No: 95-170188/199522

XRAM Acc No: C95-079108

HLA-binding peptide fragments from HIV proteins - induce killer cells which target HIV-infected cells and can be incorporated into anti-HIV vaccines

Patent Assignee: AJINOMOTO CO INC (AJIN); AJINOMOTO KK (AJIN)

Inventor: MIWA K; TAKIGUCHI M

Number of Countries: 023 Number of Patents: 007

Patent Family:

Patent No Kind Date Applicat No Kind Date Main IPC Week WO 9511255 A1 19950427 WO 94JP1756 A 19941019 C07K-007/06 199522 B AU 9479487 A 19950508 AU 9479487 A 19941019 C07K-007/06 EP 728764 A1 19960828 EP 94930335 A 19941019 C07K-007/06 199533 199639 WO 94JP1756 A 19941019 JP 7511605 X 19960326 WO 94JP1756 A 19941019 C07K-007/06 199644 JP 95511605 A 19941019 CN 1133597 A 19961016 CN 94193851 A 19941019 C07K-007/06 199802

AU 685521 B 19980122 AU 9479487 A 19941019 C07K-007/06 199811 <u>US 5756666</u> A 19980526 WO 94JP1756 A 19941019 A61K-038/04 199828

US 96615181 A 19960404

Priority Applications (No Type Date): JP 93261302 A 19931019 Patent Details:

Patent Kind Lan Pg Filing Notes Application Patent WO 9511255 A1 J 61

Designated States (National): AU CA CN JP KR US Designated States (Regional): AT BE CH DE DK ES FR GB GR IE IT LU MC NL

PT SE

AU 9479487 A Based on WO 9511255 EP 728764 Al E 72 Based on WO 9511255

Designated States (Regional): AT BE CH DE DK ES FR GB GR IE IT LI LU MC NL PT SE

JP 7511605 X Based on WO 9511255 AU 685521 В Previous Publ. AU 9479487

Based on WO 9511255

US 5756666 A Based on WO 9511255

Language, Pages: WO 9511255 (J, 61); EP 728764 (E, 72)

Abstract (Basic): WO 9511255 A

Peptides are new which are 8-11 amino acid residues long and form a fragment of an HIV protein (such as the pol, nef or gag gene products), and are capable of binding to particular human lymphocyte antigens (HLA). The peptides induce killer cells which target HIV-infected cells. Also claimed are DNA sequences coding for the peptides.

USE - Prevention and treatment of HIV infection and AIDS. Anti-HIV vaccines may incorporate the peptides, or may incorporate a vector (such as vaccinia or BCG) containing DNA coding for the peptides.

Sub account: EWEBER/18623-0058300EP/DMW \$7.47 Estimated total session cost 0.203 DialUnits